



Maria Luisa García Rubio

Generado desde: Editor CVN de FECYT

Fecha del documento: 22/01/2025

v 1.4.3

48fab88c4bf6d76ffcd786603b8a47de

Este fichero electrónico (PDF) contiene incrustada la tecnología CVN (CVN-XML). La tecnología CVN de este fichero permite exportar e importar los datos curriculares desde y hacia cualquier base de datos compatible. Listado de Bases de Datos adaptadas disponible en <http://cvn.fecyt.es/>



Indicadores generales de calidad de la producción científica

Información sobre el número de sexenios de investigación y la fecha del último concedido, número de tesis doctorales dirigidas en los últimos 10 años, citas totales, promedio de citas/año durante los últimos 5 años (sin incluir el año actual), publicaciones totales en primer cuartil (Q1), índice h. Incluye otros indicadores considerados de importancia.

Mi actividad investigadora se refleja en un total de 45 publicaciones científicas, de las cuales: 40 se encuentran en el primer cuartil (Q1), destacándose por su relevancia en revistas de alto impacto y 5 se encuentran en el segundo cuartil (Q2), completando un portafolio que abarca temas fundamentales en genética, transcripción, replicación e integridad del genoma. Además, he contribuido con 2 capítulos de libro publicados en la serie Methods in Molecular Biology, que recogen metodologías avanzadas para el estudio de híbridos ADN-ARN y la biología molecular.

Estas publicaciones han generado un total de 3157 citas en SCOPUS (datos actualizados al 15 de enero de 2025), lo que demuestra el impacto y la influencia de mi trabajo en la comunidad científica internacional. He participado en más de una treintena de conferencias/congresos tanto nacionales como internacionales.

La calidad de mi trayectoria investigadora ha sido reconocida oficialmente en 2019, cuando la Junta de Andalucía me otorgó 2 tramos de investigación por mi labor científica en los períodos: 2002-2007: Reconociendo mis primeras contribuciones clave en el estudio de la transcripción, replicación y estabilidad genómica. 2008-2013: Avalando investigaciones avanzadas en genética molecular, con un enfoque en la inestabilidad cromosómica inducida por híbridos ADN-ARN.

Cabe destacar que, debido a mi posición como Profesora Ayudante Doctor, no pude participar en las convocatorias públicas de sexenios, a pesar de cumplir ampliamente con los criterios de calidad exigidos.

Maria Luisa García Rubio

Apellidos: **García Rubio**
Nombre: **Maria Luisa**
ORCID: **0000-0003-0981-0555**

Situación profesional actual

Entidad empleadora: Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Universidad
Departamento: Genética
Categoría profesional: Profesora Titular de Universidad
Ciudad entidad empleadora: Sevilla, Andalucía, España
Fecha de inicio: 26/12/2024

Cargos y actividades desempeñados con anterioridad

	Entidad empleadora	Categoría profesional	Fecha de inicio
1	Universidad de Sevilla	PROFESOR PERMANENTE LABORAL - MOD. PCD	29/01/2024
2	Universidad de Sevilla	PROFESOR AYUDANTE DOCTOR	20/03/2019
3	Universidad de Sevilla	PROFESOR AYUDANTE DOCTOR INTERINO	16/01/2018
4	Universidad de Sevilla	INVESTIGADOR POSTDOCTORAL EXCELENCIA(JA)	16/01/2016
5	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Investigador)	15/01/2015
6	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Investigador)	01/07/2014
7	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Investigador)	01/01/2014
8	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	01/10/2012
9	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	01/10/2011
10	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	01/12/2010
11	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	15/01/2010
12	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	15/01/2009
13	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	15/01/2008
14	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	15/01/2007
15	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	15/01/2006
16	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	15/01/2005
17	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	01/03/2004
18	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	01/01/2004
19	Universidad de Sevilla	TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)	01/01/2002



- 1** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla
Categoría profesional: PROFESOR PERMANENTE LABORAL - MOD. PCD
Fecha de inicio-fin: 29/01/2024 - 29/01/2024
- 2** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla
Categoría profesional: PROFESOR AYUDANTE DOCTOR
Fecha de inicio-fin: 20/03/2019 - 28/01/2024
- 3** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla
Categoría profesional: PROFESOR AYUDANTE DOCTOR INTERINO
Fecha de inicio-fin: 16/01/2018 - 16/01/2018
- 4** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla
Categoría profesional: INVESTIGADOR POSTDOCTORAL EXCELENCIA(JA)
Fecha de inicio-fin: 16/01/2016 - 15/01/2018
- 5** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Investigador)
Fecha de inicio-fin: 15/01/2015 - 14/01/2016
- 6** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Investigador)
Fecha de inicio-fin: 01/07/2014 - 30/09/2014
- 7** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Investigador)
Fecha de inicio-fin: 01/01/2014 - 30/06/2014
- 8** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 01/10/2012 - 31/12/2013
- 9** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Universidad
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 01/10/2011 - 30/09/2012
- 10** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Universidad
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 01/12/2010 - 30/09/2011
- 11** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Universidad
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 15/01/2010 - 30/11/2010
- 12** Entidad empleadora: Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Universidad
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 15/01/2009 - 14/01/2010

13

Entidad empleadora: Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Universidad
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 15/01/2008 - 14/01/2009

14 **Entidad empleadora:** Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Departamento Universitario
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 15/01/2007 - 14/01/2008

15 **Entidad empleadora:** Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Departamento Universitario
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 15/01/2006 - 14/01/2007

16 **Entidad empleadora:** Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Departamento Universitario
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 15/01/2005 - 14/01/2006

17 **Entidad empleadora:** Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Departamento Universitario
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 01/03/2004 - 14/01/2005

18 **Entidad empleadora:** Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Departamento Universitario
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 01/01/2004 - 29/02/2004

19 **Entidad empleadora:** Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Departamento Universitario
Categoría profesional: TITULADO SUPERIOR (Per. técnico)
Fecha de inicio-fin: 01/01/2002 - 31/12/2003

Resumen de la actividad profesional

Tras completar mi Licenciatura en Biología en la Universidad de Sevilla en 1999, me incorporé al grupo de Inestabilidad Genética del Departamento de Genética de la misma universidad, bajo la supervisión de Andrés Aguilera. Inicié mi tesis doctoral investigando el impacto de las restricciones topológicas sobre la transcripción, la replicación y la integridad genética.

Durante la tesis doctoral, realicé mi primera inmersión en la biología molecular, especializándome en el manejo y las técnicas experimentales con *Saccharomyces cerevisiae* como organismo modelo. Continué mi carrera científica en CABIMER, enfocándome en la inestabilidad cromosómica dependiente de ARN como fuente de cáncer, estudiando: Inestabilidad genómica inducida por híbridos ADN-ARN. Conflictos entre replicación y transcripción como causa de inestabilidad. Perfilado genómico de modificaciones de cromatina y roturas de ADN. Desarrollo de metodologías para el análisis genómico de estas estructuras.

En 2019 obtuve una posición como Profesora Ayudante en la Universidad de Sevilla, donde combiné mi carrera investigadora en el grupo de Inestabilidad Genética de CABIMER con la docencia en los grados de Biología y en programas de Máster, además de supervisar Trabajos Fin de Estudios (TFG) en el Departamento de Genética, y hasta la fecha gracias a mi producción científica junto con la docente he conseguido acreditarme para las siguientes figuras y actualmente tengo una plaza de Profesora Titular en la Universidad de Sevilla.



Formación académica recibida

Titulación universitaria

Estudios de 1º y 2º ciclo, y antiguos ciclos (Licenciados, Diplomados, Ingenieros Superiores, Ingenieros Técnicos, Arquitectos)

Titulación universitaria: Titulado Superior

Nombre del título: Licenciada en Biología

Entidad de titulación: Universidad de Sevilla

Fecha de titulación: 26/07/1999

Tipo de entidad: Universidad

Doctorados

Entidad de titulación: Universidad de Sevilla

Fecha de titulación: 17/09/2009

Título de la tesis: CONEXIÓN ENTRE TRANSCRIPCIÓN, RECOMBINACIÓN Y TOPOLOGÍA DEL DNA

Director/a de tesis: Aguilera Lopez, Andres

Calificación obtenida: Sobresaliente "Cum Laude"

Formación especializada, continuada, técnica, profesionalizada, de reciclaje y actualización (distinta a la formación académica reglada y a la sanitaria)

- Título de la formación:** Certificado de Mantenimiento de la capacitación para trabajar con animales en experimentación

Entidad de titulación: Consejería Agricultura Junta de Andalucía **Tipo de entidad:** Junta de Andalucía

Fecha de finalización: 10/05/2023 **Duración en horas:** 45 horas
- Título de la formación:** Protección y experimentación animal. Categoría B

Entidad de titulación: Universidad de Sevilla **Tipo de entidad:** Universidad

Fecha de finalización: 08/07/2015 **Duración en horas:** 60 horas
- Título de la formación:** Protección y experimentación Animal. Categoría C. Curso puente

Entidad de titulación: Universidad de Sevilla

Fecha de finalización: 26/10/2010



Conocimiento de idiomas

Idioma	Comprensión auditiva	Comprensión de lectura	Interacción oral	Expresión oral	Expresión escrita
Inglés	C1	C1	C1	C1	C1

Actividad docente

Pluralidad, interdisciplinariedad y complejidad docente

A lo largo de mi trayectoria como docente universitaria en la Universidad de Sevilla, he impartido asignaturas tanto teóricas como prácticas en los grados de Biología y Bioquímica, combinando una enseñanza estructurada con un enfoque dinámico y actualizado. Además, tengo el privilegio de participar como docente en el Máster Universitario de Biología Avanzada, donde contribuyo a la formación de futuros investigadores y profesionales del ámbito biológico. He dirigido diversos Trabajos Fin de Grado (TFG), apoyando el desarrollo académico y científico de mis estudiantes.

Desde el inicio de mi carrera docente, he estado comprometida con la mejora continua y la innovación educativa, explorando activamente las nuevas tecnologías emergentes en la enseñanza. Esta inquietud me ha llevado a participar en más de una decena de cursos de formación docente y en jornadas de innovación educativa, lo que ha enriquecido mi práctica pedagógica y mi capacidad para adaptarme a las demandas de una educación moderna.

Asimismo, he realizado una publicación docente, un logro que refleja mi interés por contribuir al avance de las metodologías de enseñanza y el aprendizaje en el ámbito universitario.

Experiencia científica y tecnológica

Actividad científica o tecnológica

Proyectos de I+D+i financiados en convocatorias competitivas de Administraciones o entidades públicas y privadas

- 1** **Nombre del proyecto:** Función de la cromatina en la inestabilidad genómica asociada a transcripción

Ámbito geográfico: Nacional

Grado de contribución: Investigador/a

Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés

Nº de investigadores/as: 12

Entidad/es financiadora/s:

Ministerio de Ciencia e Innovación

Tipo de entidad: Organismo, Otros

Nombre del programa: Plan Estatal 2021-2023 - Proyectos Investigación No Orientada

Cód. según financiadora: PID2022-138251NB-I00

Fecha de inicio-fin: 01/09/2023 - 31/08/2026

Duración: 3 años

Cuantía total: 512.500 €

- 2** **Nombre del proyecto:** Mecanismos de Inestabilidad Genómica Mediada por ARN y Reparación
Ámbito geográfico: Nacional
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 21
Entidad/es financiadora/s:
Ministerio de Ciencia, Innovación y Universidades
Nombre del programa: Plan Estatal 2017-2020 Generación Conocimiento - Proyectos I+D+i
Cód. según financiadora: PID2019-104270GB-I00
Fecha de inicio-fin: 01/06/2020 - 30/11/2023 **Duración:** 3 años - 6 meses
Cuantía total: 484.000 €
- 3** **Nombre del proyecto:** Respuesta transcriptional en cis a la presencia de daño en el DNA
Ámbito geográfico: Autonómica
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés; García Rondón, Ana Beatriz
Nº de investigadores/as: 22
Entidad/es financiadora/s:
Junta de Andalucía (Consejería de Economía y Conocimiento)
Nombre del programa: PAIDI 2018: Proyectos I+D+i
Cód. según financiadora: P18-FR-655
Fecha de inicio-fin: 01/01/2020 - 31/03/2023 **Duración:** 3 años - 3 meses
Cuantía total: 145.625 €
- 4** **Nombre del proyecto:** Modificaciones de histonas y proteínas de unión a ARN en el origen de la inestabilidad genética
Ámbito geográfico: Autonómica
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés; Luna Varo, Rosa María
Nº de investigadores/as: 13
Entidad/es financiadora/s:
Junta de Andalucía (Consejería de Economía y Conocimiento)
Nombre del programa: Proyectos I+D+i FEDER Andalucía 2014-2020
Cód. según financiadora: US-1258654
Fecha de inicio-fin: 01/02/2020 - 30/04/2022 **Duración:** 2 años - 3 meses
Cuantía total: 80.000 €
- 5** **Nombre del proyecto:** Transcription y Replication como Fuentes de Inestabilidad Genética
Ámbito geográfico: Nacional
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 20
Entidad/es financiadora/s:
Ministerio de Economía y Competitividad
Nombre del programa: Plan Estatal 2013-2016 Excelencia - Proyectos I+D
Cód. según financiadora: BFU2016-75058-P
Fecha de inicio-fin: 30/12/2016 - 31/12/2020 **Duración:** 4 años - 2 días
Cuantía total: 484.000 €



- 6** **Nombre del proyecto:** Origen de la Inestabilidad Cromosómica Asociada a Defectos en Transcripción y Replicación
Ámbito geográfico: Autonómica
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 21
Entidad/es financiadora/s:
Consejería de Economía, Innovación y Ciencia
Nombre del programa: Proyectos de Excelencia de la Junta de Andalucía
Cód. según financiadora: P12-BIO-1238
Fecha de inicio-fin: 30/01/2014 - 16/02/2019 **Duración:** 5 años - 18 días
Cuantía total: 273.894 €
- 7** **Nombre del proyecto:** Inestabilidad Genómica Asociada a Transcripción e Híbridos DNA-RNA
Ámbito geográfico: Nacional
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 22
Entidad/es financiadora/s:
Ministerio de Economía y Competitividad
Nombre del programa: Plan Estatal 2013-2016 Excelencia - Proyectos I+D
Cód. según financiadora: BFU2013-42918-P
Fecha de inicio-fin: 01/01/2014 - 30/06/2017 **Duración:** 3 años - 6 meses
Cuantía total: 629.200 €
- 8** **Nombre del proyecto:** Roturas de ADN Asociadas a Replicación y Reparación por Recombinación de Genomas Eucarióticos
Ámbito geográfico: Nacional
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 22
Entidad/es financiadora/s:
Ministerio de Ciencia e Innovación **Tipo de entidad:** Organismo, Otros
Nombre del programa: Plan Nacional del 2010
Cód. según financiadora: BFU2010-16372
Fecha de inicio-fin: 01/01/2011 - 30/11/2014 **Duración:** 3 años - 11 meses
Cuantía total: 834.900 €
- 9** **Nombre del proyecto:** Inestabilidad genómica
Ámbito geográfico: Nacional
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 24
Entidad/es financiadora/s:
Ministerio de Educación y Ciencia
Nombre del programa: OPN - Consolidar
Cód. según financiadora: CSD2007-00015
Fecha de inicio-fin: 01/10/2007 - 09/12/2013 **Duración:** 6 años - 2 meses - 9 días
Cuantía total: 6.000.000 €



- 10** **Nombre del proyecto:** Bases Genéticas y Moleculares del Origen de la Inestabilidad Genómica en Eucariotas
Ámbito geográfico: Autonómica
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 21
Entidad/es financiadora/s:
Junta de Andalucía - Consejería de Innovación, Ciencia y Empresas
Nombre del programa: Proyectos de Excelencia de la Junta de Andalucía
Cód. según financiadora: P09-CVI-4567
Fecha de inicio-fin: 03/02/2010 - 01/12/2013 **Duración:** 3 años - 9 meses - 29 días
Cuantía total: 204.445 €
- 11** **Nombre del proyecto:** Genómica Funcional de la Interconexión Transcripción -Transporte de ARN
Ámbito geográfico: Autonómica
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 17
Entidad/es financiadora/s:
Junta de Andalucía - Consejería de Innovación, Ciencia y Empresas
Nombre del programa: Proyectos de Excelencia de la Junta de Andalucía
Cód. según financiadora: P07-CVI-02549
Fecha de inicio-fin: 31/01/2008 - 30/11/2011 **Duración:** 3 años - 10 meses - 1 día
Cuantía total: 352.000,04 €
- 12** **Nombre del proyecto:** Bases genéticas y moleculares de la inestabilidad genómica y su relación con la biogénesis de los mRNPs de eucariotas
Ámbito geográfico: Nacional
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 18
Entidad/es financiadora/s:
Ministerio de Educación y Ciencia
Nombre del programa: Plan Nacional del 2006
Cód. según financiadora: BFU2006-05260
Fecha de inicio-fin: 01/10/2006 - 30/09/2011 **Duración:** 5 años
Cuantía total: 757.339 €
- 13** **Nombre del proyecto:** Bases genéticas y moleculares del origen de la inestabilidad genética en eucariotas
Ámbito geográfico: Autonómica
Grado de contribución: Investigador/a
Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés
Nº de investigadores/as: 16
Entidad/es financiadora/s:
Junta de Andalucía (Plan Andaluz de Investigación)
Nombre del programa: Proyectos de Excelencia de la Junta de Andalucía
Cód. según financiadora: EXC/2005/CVI-624
Fecha de inicio-fin: 01/03/2006 - 28/02/2009 **Duración:** 3 años



Cuantía total: 163.000 €

14 Nombre del proyecto: Inestabilidad genética asociada a transcripción en eucariotas

Ámbito geográfico: Nacional

Grado de contribución: Investigador/a

Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés

Nº de investigadores/as: 10

Entidad/es financiadora/s:

Ministerio de Ciencia y Tecnología

Nombre del programa: Plan Nacional del 2003

Cód. según financiadora: SAF2003-00204

Fecha de inicio-fin: 15/11/2003 - 14/04/2007

Duración: 3 años - 5 meses

Cuantía total: 421.100 €

15 Nombre del proyecto: Saccharomyces cerevisiae como modelo eucariótico para el estudio genómico y proteómico de la respuesta celular al estrés

Ámbito geográfico: Nacional

Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés

Nº de investigadores/as: 5

Entidad/es financiadora/s:

Ministerio de Ciencia y Tecnología

Nombre del programa: Plan Nacional del 2001

Cód. según financiadora: GEN2001-4707-C08-02

Fecha de inicio-fin: 28/12/2001 - 27/12/2004

Duración: 3 años

Cuantía total: 141.450 €

16 Nombre del proyecto: Recombinación entre secuencias repetidas e inestabilidad genética en saccharomyces cerevisiae: un modelo funcional eucarionte

Ámbito geográfico: Nacional

Nombres investigadores principales (IP, Co-IP,...): Aguilera López, Andrés

Nº de investigadores/as: 7

Entidad/es financiadora/s:

Ministerio de Ciencia y Tecnología

Nombre del programa: Plan Nacional del 2000

Cód. según financiadora: BMC2000-0439

Fecha de inicio-fin: 20/12/2000 - 20/12/2003

Duración: 3 años - 1 día

Cuantía total: 192.695,91 €

Actividades científicas y tecnológicas

Producción científica

Índice H: 28

Fecha de aplicación: 13/01/2025

Fuente de Índice H: SCOPUS

Publicaciones, documentos científicos y técnicos

- 1** Muñoz, Sergio; Barroso, Sonia; Badra-Fajardo, Nibal; Marqueta-Gracia, José Javier; García-Rubio, María L.; Ubieto-Capella, Patricia; Méndez, Juan; Aguilera, Andrés. SIN3A histone deacetylase action counteracts MUS81 to promote stalled fork stability. CELL REPORTS. 43 - 2, CELL PRESS, 2024. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.celrep.2024.113778>>. ISSN 2211-1247

DOI: 10.1016/j.celrep.2024.113778

Handle: 11441/159513

PMID: 38341854

Código Scopus: 85184783094

Código WOS: WOS:001184185000001

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 5

Nº total de autores: 8

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.279

Posición de publicación: 14

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 7.500

Posición de publicación: 36

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 304

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 205

Citas: 1

Citas: 1

- 2** Marchena-Cruz, Esther; Camino, Lola P; Bhandari, Jay; Silva, Sonia; Marqueta-Gracia, Jose Javier; Amdeen, Shahad A; Guillen-Mendoza, Cristina; Garcia-Rubio, Maria L; Calderon-Montano, Jose M; Xue, Xiaoyu; Luna, Rosa; Aguilera, Andres. DDX47, MeCP2, and other functionally heterogeneous factors protect cells from harmful R loops. CELL REPORTS. 42 - 3, pp. 112148. CELL PRESS, 2023. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.celrep.2023.112148>>. ISSN 2211-1247

DOI: 10.1016/j.celrep.2023.112148

Handle: 11441/143417

PMID: 36827184

Código Scopus: 85149861082

Código WOS: WOS:000993510200001

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 8

Nº total de autores: 12

Tipo de soporte: Revista

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.279

Posición de publicación: 14

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 7.500

Posición de publicación: 36

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Categoría: Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 304

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 205

Citas: 14

Citas: 15

- 3** Camino, Lola P.; Dutta, Arijit; Barroso, Sonia; Pérez-Calero, Carmen; Katz, Jeffrey N.; García-Rubio, María; Sung, Patrick; Gómez-González, Belén; Aguilera, Andrés. DICER ribonuclease removes harmful R-loops. MOLECULAR CELL. 83 - 20, pp. 3707 - 3719.e5. CELL PRESS (Elsevier); CELL PRESS, 2023. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.molcel.2023.09.021>>. ISSN 1097-2765, ISSN 1097-4164

DOI: 10.1016/j.molcel.2023.09.021

PMID: 37827159

Código Scopus: 85174000211

Código WOS: WOS:001104247000001

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 6

Nº total de autores: 9

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.500

Posición de publicación: 14

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.500

Posición de publicación: 7

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 9.332

Posición de publicación: 7

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 9.332

Posición de publicación: 7

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 205

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 313

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 295

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 422

Citas: 8

Citas: 8

- 4** Williams, Jonathan D.; Zhu, Demi; García-Rubio, María; Shaltz, Samantha; Aguilera, Andrés; Jinks-Robertson, Sue. Spontaneous deamination of cytosine to uracil is biased to the non-transcribed DNA strand in yeast. DNA REPAIR. 126, ELSEVIER SCIENCE BV; ELSEVIER, 2023. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.dnarep.2023.103489>>. ISSN 1568-7856, ISSN 1568-7864

DOI: 10.1016/j.dnarep.2023.103489

Handle: 11441/162455

PMID: 37018983

Código Scopus: 85151485317

Código WOS: WOS:000969795500001

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.906

Posición de publicación: 43

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.906

Posición de publicación: 51

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.906

Posición de publicación: 68

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 3.000

Posición de publicación: 44

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 3.000

Posición de publicación: 78

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Biochemistry

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 448

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 295

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 422

Categoría: Science Edition - TOXICOLOGY

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 106

Categoría: Science Edition - GENETICS & HEREDITY

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 191

Citas: 1

Citas: 1

- 5** Cañas, Juan Carlos; García-Rubio, María Luisa; García, Alicia; Antequera, Francisco; Gómez-González, Belén; Aguilera, Andrés. A role for the *Saccharomyces cerevisiae* Rtt109 histone acetyltransferase in R-loop homeostasis and associated genome instability. *GENETICS*. 222 - 1, GENETICS SOCIETY AMERICA, 2022. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1093/genetics/iyac108>>. ISSN 0016-6731, ISSN 1943-2631

DOI: 10.1093/genetics/iyac108

Handle: 11441/137151

PMID: 35866610

Código Scopus: 85137138351

Código WOS: WOS:000839134300001

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 2

Nº total de autores: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.848

Posición de publicación: 47

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 3.300

Posición de publicación: 74

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Genetics

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 363

Categoría: Science Edition - GENETICS & HEREDITY

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 171

Citas: 5

Citas: 5



- 6** Han, Seong-Su; Wen, Kuo-Kuang; García-Rubio, María L.; Wold, Marc S.; Aguilera, Andrés; Niedzwiedz, Wojciech; Vyas, Yatin M.. WASp modulates RPA function on single-stranded DNA in response to replication stress and DNA damage. NATURE COMMUNICATIONS. 13 - 1, NATURE PUBLISHING GROUP; NATURE PORTFOLIO, 2022. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1038/s41467-022-31415-z>>. ISSN 2041-1723

DOI: 10.1038/s41467-022-31415-z

Handle: 11441/146583

PMID: 35768435

Código Scopus: 85133128946

Código WOS: WOS:000830675000033

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 7

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 16.600

Posición de publicación: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 5.116

Posición de publicación: 10

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 5.116

Posición de publicación: 13

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 5.116

Posición de publicación: 7

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Science Edition - MULTIDISCIPLINARY SCIENCES

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 73

Categoría: Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 307

Categoría: Chemistry (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 498

Categoría: Physics and Astronomy (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 307

Citas: 16

Citas: 16

- 7** San Martín-Alonso, Marta; Soler-Oliva, María E.; García-Rubio, María; García-Muse, Tatiana; Aguilera, Andrés. Harmful R-loops are prevented via different cell cycle-specific mechanisms. NATURE COMMUNICATIONS. 12 - 1, NATURE PUBLISHING GROUP; NATURE PORTFOLIO, 2021. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1038/s41467-021-24737-x>>. ISSN 2041-1723

DOI: 10.1038/s41467-021-24737-x

Handle: 11441/125249

PMID: 34294712

Código Scopus: 85111101984

Código WOS: WOS:000686581300015

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 5

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 17.694

Posición de publicación: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.846

Posición de publicación: 14

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Science Edition - MULTIDISCIPLINARY SCIENCES

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 74

Categoría: Chemistry (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 495

**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 4.846**Posición de publicación:** 8**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 4.846**Posición de publicación:** 9**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Categoría:** Physics and Astronomy (miscellaneous)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 311**Categoría:** Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 308**Citas:** 33**Citas:** 36

- 8** Zheleva, Angelina; P. Camino, Lola; Fernández-Fernández, Nuria; García-Rubio, María; Askjaer, Peter; García-Muse, Tatiana; Aguilera, Andrés. THSC/TREX-2 deficiency causes replication stress and genome instability in *Caenorhabditis elegans*. JOURNAL OF CELL SCIENCE. 134 - 20, COMPANY BIOLOGISTS LTD; The Company of Biologists, 2021. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1242/jcs.258435>>. ISSN 0021-9533, ISSN 1477-9137

DOI: 10.1242/jcs.258435**Handle:** 11441/126250**PMID:** 34553761**Código Scopus:** 85118871953**Código WOS:** WOS:000709947300004**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 4**Nº total de autores:** 7**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 1.936**Posición de publicación:** 49**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 5.235**Posición de publicación:** 87**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Cell Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 303**Categoría:** Science Edition - CELL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** No**Num. revistas en cat.:** 195**Citas:** 1**Citas:** 1

- 9** Galati, Elena; Bosio, Maria C.; Novarina, Daniele; Chiara, Matteo; Bernini, Giulia M.; Mozzarelli, Alessandro M.; García-Rubio, María L.; Gómez-González, Belén; Aguilera, Andrés; Carzaniga, Thomas; Todisco, Marco; Bellini, Tommaso; Nava, Giulia M.; Frige, Gianmaria; Sertic, Sarah; Horner, David S.; Baryshnikova, Anastasia; Manzari, Caterina; D'Erchia, Anna M.; Pesole, Graziano; Brown, Grant W; Muzi-Falconi, Marco; Lazzaro, Federico. VID22 counteracts G-quadruplex-induced genome instability. NUCLEIC ACIDS RESEARCH. 49 - 22, pp. 12785 - 12804. OXFORD UNIV PRESS, 2021. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1093/nar/gkab1156>>. ISSN 0305-1048, ISSN 1362-4962

DOI: 10.1093/nar/gkab1156**Handle:** 11441/129420**PMID:** 34871443**Código Scopus:** 85122842845**Código WOS:** WOS:000736046000020**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 7**Nº total de autores:** 23**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Tipo de soporte:** Revista



Índice de impacto: 19.160
Posición de publicación: 8

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 8.241
Posición de publicación: 6

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 297

Categoría: Genetics
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 367

Citas: 5

Citas: 5

- 10** Lafuente-Barquero, Juan; García-Rubio, Maria Luisa; Martin-Alonso, Marta San; Gómez-González, Belén; Aguilera, Andrés. Harmful DNA:RNA hybrids are formed in cis and in a Rad51-independent manner. eLife. 9, pp. 1 - 19. eLife Sciences Publications Ltd.; eLIFE SCIENCES PUBL LTD, 2020. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.7554/eLife.56674>>. ISSN 2050-084, ISSN 2050-084X

DOI: 10.7554/eLife.56674

Handle: 11441/101499

PMID: 32749214

Código Scopus: 85089709684

Código WOS: WOS:000562957100001

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 2

Nº total de autores: 5

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 5.879
Posición de publicación: 10

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 5.879
Posición de publicación: 30

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 5.879
Posición de publicación: 6

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 310

Categoría: Medicine (miscellaneous)
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 2.531

Categoría: Neuroscience (miscellaneous)
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 157

Citas: 18

Citas: 21

- 11** Garcia-Muse, Tatiana; Galindo-Diaz, U.; Garcia-Rubio, M.; Martin, J. S.; Polanowska, J.; O'Reilly, N.; Aguilera, A.; Boulton, Simon J.. A Meiotic Checkpoint Alters Repair Partner Bias to Permit Inter-sister Repair of Persistent DSBs. CELL REPORTS. 26 - 3, pp. 775 - 787.e5. CELL PRESS, 2019. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.celrep.2018.12.074>>. ISSN 2211-1247

DOI: 10.1016/j.celrep.2018.12.074

Handle: 11441/82040

PMID: 30650366

Código Scopus: 85059342405

Código WOS: WOS:000455627400022

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 8

Tipo de soporte: Revista

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 6.058

Posición de publicación: 8

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 8.109

Posición de publicación: 30

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Categoría: Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 326

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 195

Citas: 18

Citas: 17

- 12** Barroso, Sonia; Herrera-Moyano, Emilia; Muñoz, Sergio; García-Rubio, María; Gómez-González, Belén; Aguilera, Andrés. The DNA damage response acts as a safeguard against harmful DNA-RNA hybrids of different origins. EMBO REPORTS. 20 - 9, WILEY; SPRINGER NATURE, 2019. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.15252/embr.201847250>>. ISSN 1469-221X, ISSN 1469-3178

DOI: 10.15252/embr.201847250

Handle: 11441/93263

PMID: 31338941

Código Scopus: 85069933423

Código WOS: WOS:000477178100001

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 4

Nº total de autores: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.557

Posición de publicación: 12

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.557

Posición de publicación: 16

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.557

Posición de publicación: 21

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 7.497

Posición de publicación: 32

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 7.497

Posición de publicación: 33

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Biochemistry

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 491

Categoría: Genetics

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 372

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 441

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 297

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 195

Citas: 69

Citas: 72

- 13** Duch, Alba; Canal, Berta; Barroso, Sonia I.; García-Rubio, María; Seisenbacher, Gerhard; Aguilera, Andrés; De Nadal, Eulàlia; Posas, Francesc. Multiple signaling kinases target Mrc1 to prevent genomic instability triggered by transcription-replication conflicts. NATURE COMMUNICATIONS. 9 - 1, pp. 379 - 379. NATURE PUBLISHING GROUP; NATURE PORTFOLIO, 2018. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1038/s41467-017-02756-x>>. ISSN 2041-1723

DOI: 10.1038/s41467-017-02756-x
Handle: 11441/70169
PMID: 29371596
Código Scopus: 85041042151
Código WOS: WOS:000423424800014
Tipo de producción: Artículo científico
Posición de firma: 4
Nº total de autores: 8
Fuente de impacto: WOS (JCR)
Índice de impacto: 11.878
Posición de publicación: 5
Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 5.992
Posición de publicación: 10
Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 5.992
Posición de publicación: 11
Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 5.992
Posición de publicación: 8
Fuente de citas: WOS
Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Science Edition - MULTIDISCIPLINARY SCIENCES

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 69

Categoría: Chemistry (miscellaneous)
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 458

Categoría: Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 289

Categoría: Physics and Astronomy (miscellaneous)
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 279

Citas: 26

Citas: 25

- 14** García-Rubio, María; Aguilera, Paula; Lafuente-Barquero, Juan; Ruiz, José F.; Simon, Marie Noelle; Geli, Vincent; Rondón, Ana G.; Aguilera, Andrés. Yra1-bound RNA-DNA hybrids cause orientation-independent transcription-replication collisions and telomere instability. GENES & DEVELOPMENT. 32 - 13-14, pp. 965 - 977. COLD SPRING HARBOR LAB PRESS, PUBLICATIONS DEPT, 2018. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1101/gad.311274.117>>. ISSN 0890-9369, ISSN 1549-5477

DOI: 10.1101/gad.311274.117
Handle: 11441/78284
PMID: 29954833
Código Scopus: 85049540021
Código WOS: WOS:000437221000009
Tipo de producción: Artículo científico
Posición de firma: 1
Nº total de autores: 8
Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 7.925
Posición de publicación: 2
Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 7.925
Posición de publicación: 7
Fuente de impacto: WOS (JCR)
Índice de impacto: 8.990
Posición de publicación: 11

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Developmental Biology
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 89

Categoría: Genetics
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 356

Categoría: Science Edition - GENETICS & HEREDITY
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 174

**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 8.990**Posición de publicación:** 22**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 8.990**Posición de publicación:** 3**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Categoría:** Science Edition - CELL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 193**Categoría:** Science Edition - DEVELOPMENTAL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 43**Citas:** 54**Citas:** 58

- 15** Muñoz-Galván, Sandra; García-Rubio, María; Ortega, Pedro; Ruiz, Jose F.; Jimeno, Sonia; Pardo, Benjamin; Gómez-González, Belén; Aguilera, Andrés. A new role for Rrm3 in repair of replication-born DNA breakage by sister chromatid recombination. PLOS GENETICS. 13 - 5, pp. e1006781. PUBLIC LIBRARY SCIENCE, 2017. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1371/journal.pgen.1006781>>. ISSN 1553-7404

DOI: 10.1371/journal.pgen.1006781**Handle:** 11441/61042**PMID:** 28475600**Código Scopus:** 85020164218**Código WOS:** WOS:000402884800030**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 2**Nº total de autores:** 8**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 4.829**Posición de publicación:** 11**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 4.829**Posición de publicación:** 16**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 4.829**Posición de publicación:** 23**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 4.829**Posición de publicación:** 5**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 4.829**Posición de publicación:** 9**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 5.540**Posición de publicación:** 22**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Ecology, Evolution, Behavior and Systematics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 667**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 356**Categoría:** Molecular Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 416**Categoría:** Genetics (clinical)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 105**Categoría:** Cancer Research**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 233**Categoría:** Science Edition - GENETICS & HEREDITY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 171**Citas:** 17**Citas:** 17



- 16** García-Pichardo, Desiré; Cañas, Juan C.; García-Rubio, María L.; Gómez-González, Belén; Rondón, Ana G.; Aguilera, Andrés. Histone Mutants Separate R Loop Formation from Genome Instability Induction. MOLECULAR CELL. 66 - 5, pp. 597 - +. CELL PRESS (Elsevier); CELL PRESS, 2017. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.molcel.2017.05.014>>. ISSN 1097-2765, ISSN 1097-4164

DOI: 10.1016/j.molcel.2017.05.014

Handle: 11441/87593

PMID: 28575656

Código Scopus: 85020105448

Código WOS: WOS:000402726700004

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 13.841

Posición de publicación: 4

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 13.841

Posición de publicación: 5

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.248

Posición de publicación: 11

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.248

Posición de publicación: 5

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 299

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 416

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 190

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 293

Citas: 81

Citas: 84

- 17** Gavaldá, Sandra; Santos-Pereira, José M.; García-Rubio, María L.; Luna, Rosa; Aguilera, Andrés. Excess of Yra1 RNA-Binding Factor Causes Transcription-Dependent Genome Instability, Replication Impairment and Telomere Shortening. PLOS GENETICS. 12 - 4, pp. e1005966. PUBLIC LIBRARY SCIENCE, 2016. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1371/journal.pgen.1005966>>. ISSN 1553-7404

DOI: 10.1371/journal.pgen.1005966

Handle: 11441/54889

PMID: 27035147

Código Scopus: 84964827938

Código WOS: WOS:000375231900018

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 5

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 5.457

Posición de publicación: 15

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 5.457

Posición de publicación: 18

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Genetics

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 351

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 417

Categoría: Genetics (clinical)

Índice de impacto: 5.457
Posición de publicación: 5

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 5.457
Posición de publicación: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 5.457
Posición de publicación: 9

Fuente de impacto: WOS (JCR)
Índice de impacto: 6.100
Posición de publicación: 16

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 104

Categoría: Cancer Research
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 228

Categoría: Ecology, Evolution, Behavior and Systematics
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 646

Categoría: Science Edition - GENETICS & HEREDITY
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 167

Citas: 20

Citas: 20

- 18** Madireddy, Advaita; Kosiyatrakul, Settapong T.; Boisvert, Rebecca A.; Herrera-Moyano, Emilia; García-Rubio, María L.; Gerhardt, Jeannine; Vuono, Elizabeth A.; Owen, Nichole; Yan, Zi; Olson, Susan; Aguilera, Andrés; Howlett, Niall G.; Schildkraut, Carl L.. FANCD2 Facilitates Replication through Common Fragile Sites. MOLECULAR CELL. 64 - 2, pp. 388 - 404. CELL PRESS (Elsevier); CELL PRESS, 2016. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.molcel.2016.09.017>>. ISSN 1097-2765, ISSN 1097-4164

DOI: 10.1016/j.molcel.2016.09.017

Handle: 11441/67622

PMID: 27768874

Código Scopus: 84994802487

Código WOS: WOS:000389515000016

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 5

Nº total de autores: 13

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 13.619
Posición de publicación: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 13.619
Posición de publicación: 6

Fuente de impacto: WOS (JCR)
Índice de impacto: 14.714
Posición de publicación: 12

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.714
Posición de publicación: 6

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Cell Biology
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 298

Categoría: Molecular Biology
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 417

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 190

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 290

Citas: 130

Citas: 135



- 19** Felipe-Abrio, Irene; Lafuente-Barquero, Juan; García-Rubio, María L.; Aguilera, Andrés. RNA polymerase II contributes to preventing transcription-mediated replication fork stalls. EMBO JOURNAL. 34 - 2, pp. 236 - 250. WILEY; SPRINGER NATURE, 2015. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.15252/embj.201488544>>. ISSN 0261-4189, ISSN 1460-2075

DOI: 10.15252/embj.201488544

PMID: 25452497

Código Scopus: 84921314292

Código WOS: WOS:000347878900010

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 4

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 7.420

Posición de publicación: 14

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 7.420

Posición de publicación: 24

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 7.420

Posición de publicación: 7

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 7.420

Posición de publicación: 8

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 9.643

Posición de publicación: 15

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 9.643

Posición de publicación: 15

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 407

Categoría: Medicine (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 2.830

Categoría: Neuroscience (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 150

Categoría: Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 255

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 187

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 289

Citas: 39

Citas: 39

- 20** García-Rubio, María L.; Pérez-Calero, Carmen; Barroso, Sonia I.; Tumini, Emanuela; Herrera-Moyano, Emilia; Rosado, Iván V.; Aguilera, Andrés. The Fanconi anemia pathway protects genome integrity from R-loops. PLOS GENETICS. 11 - 11, pp. e1005674. PUBLIC LIBRARY SCIENCE, 2015. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1371/journal.pgen.1005674>>. ISSN 1553-7404

DOI: 10.1371/journal.pgen.1005674

Handle: 11441/55830

PMID: 26584049

Código Scopus: 84949256749

Código WOS: WOS:000366179000045

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 1

Nº total de autores: 7

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Tipo de soporte: Revista

Autor de correspondencia: Sí

Categoría: Genetics



Índice de impacto: 6.390
Posición de publicación: 14

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 6.390
Posición de publicación: 17

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 6.390
Posición de publicación: 5

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 6.390
Posición de publicación: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 6.390
Posición de publicación: 8

Fuente de impacto: WOS (JCR)
Índice de impacto: 6.661
Posición de publicación: 15

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 341

Categoría: Molecular Biology
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 407

Categoría: Genetics (clinical)
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 102

Categoría: Cancer Research
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 224

Categoría: Ecology, Evolution, Behavior and Systematics
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 611

Categoría: Science Edition - GENETICS & HEREDITY
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 166

Citas: 215

Citas: 218

- 21** Santos-Pereira, José M.; García-Rubio, María L.; Cristina González-Aguilera,; Luna, Rosa; Aguilera, Andrés. A genome-wide function of THSC/TREX-2 at active genes prevents transcription-replication collisions. NUCLEIC ACIDS RESEARCH. 42 - 19, pp. 12000 - 12014. OXFORD UNIV PRESS, 2014. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1093/nar/gku906>>. ISSN 0305-1048, ISSN 1362-4962

DOI: 10.1093/nar/gku906

Handle: 11441/29095

PMID: 25294824

Código Scopus: 84925283665

Código WOS: WOS:000347689500022

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 2

Nº total de autores: 5

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)
Índice de impacto: 6.640
Posición de publicación: 14

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 9.112
Posición de publicación: 20

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Genetics
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 333

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 290

Citas: 16

Citas: 17



- 22** Bhatia, Vaibhav; Barroso, Sonia I.; García-Rubio, María L.; Tumini, Emanuela; Herrera-Moyano, Emilia; Aguilera, Andrés. BRCA2 prevents R-loop accumulation and associates with TREX-2 mRNA export factor PCID2. NATURE. 511 - 7509, pp. 362 - 365. NATURE PUBLISHING GROUP; NATURE PORTFOLIO, 2014. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1038/nature13374>>. ISSN 0028-0836, ISSN 1476-4687

DOI: 10.1038/nature13374

PMID: 24896180

Código Scopus: 84904459138

Código WOS: WOS:000338992200039

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 18.780

Posición de publicación: 1

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 41.456

Posición de publicación: 1

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Multidisciplinary

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 121

Categoría: Science Edition - MULTIDISCIPLINARY SCIENCES

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 57

Citas: 388

Citas: 408

- 23** Herrera-Moyano, E.; Mergui, X.; García-Rubio, M. L.; Barroso, S.; Aguilera, A.. The yeast and human FACT chromatinreorganizing complexes solve R-loop-mediated transcription-replication conflicts. GENES & DEVELOPMENT. 28 - 7, pp. 735 - 748. COLD SPRING HARBOR LAB PRESS, PUBLICATIONS DEPT, 2014. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1101/gad.234070.113>>. ISSN 0890-9369, ISSN 1549-5477

DOI: 10.1101/gad.234070.113

Handle: 11441/29091

PMID: 24636987

Código Scopus: 84898841862

Código WOS: WOS:000334354700007

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 5

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 10.798

Posición de publicación: 16

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 10.798

Posición de publicación: 2

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 10.798

Posición de publicación: 8

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 12.005

Posición de publicación: 2

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 184

Categoría: Science Edition - DEVELOPMENTAL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 41

Categoría: Science Edition - GENETICS & HEREDITY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 167

Categoría: Developmental Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 90

Categoría: Genetics

Índice de impacto: 12.005
Posición de publicación: 6

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 333

Citas: 134

Citas: 137

- 24** Sollier, Julie; Stork, Caroline Townsend; García-Rubio, María L.; Paulsen, Renee D.; Aguilera, Andrés; Cimprich, Karlene A.. Transcription-Coupled Nucleotide Excision Repair Factors Promote R-Loop-Induced Genome Instability. MOLECULAR CELL. 56 - 6, pp. 777 - 785. CELL PRESS (Elsevier); CELL PRESS, 2014. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.molcel.2014.10.020>>. ISSN 1097-2765, ISSN 1097-4164

DOI: 10.1016/j.molcel.2014.10.020

Handle: 11441/67527

PMID: 25435140

Código Scopus: 84918791689

Código WOS: WOS:000346653500007

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 6

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 12.999

Posición de publicación: 5

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 12.999

Posición de publicación: 7

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.018

Posición de publicación: 11

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.018

Posición de publicación: 6

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 400

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 286

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 184

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 290

Citas: 413

Citas: 415

- 25** Duch, Alba; Felipe-Abrio, Irene; Barroso, Sonia; Yaakov, Gilad; García-Rubio, María; Aguilera, Andrés; Nadal, Eulàlia de; Posas, Francesc. Coordinated control of replication and transcription by a SAPK protects genomic integrity. NATURE. 493 - 7430, pp. 116 - 119. NATURE PUBLISHING GROUP; NATURE PORTFOLIO, 2013. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1038/nature11675>>. ISSN 0028-0836, ISSN 1476-4687

DOI: 10.1038/nature11675

PMID: 23178807

Código Scopus: 84871740379

Código WOS: WOS:000312933800042

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 5

Nº total de autores: 8

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 19.690

Posición de publicación: 1

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Multidisciplinary

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 119

**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 42.351**Posición de publicación:** 1**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Categoría:** Science Edition - MULTIDISCIPLINARY SCIENCES**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 55**Citas:** 70**Citas:** 72

- 26** Santos-Pereira, José M.; Herrero, Ana B.; García-Rubio, María L.; Marín, Antonio; Moreno, Sergio; Aguilera, Andrés. The Npl3 hnRNP prevents R-loop-mediated transcription-replication conflicts and genome instability. GENES & DEVELOPMENT. 27 - 22, pp. 2445 - 2458. COLD SPRING HARBOR LAB PRESS, PUBLICATIONS DEPT, 2013. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1101/gad.229880.113>>. ISSN 0890-9369, ISSN 1549-5477

DOI: 10.1101/gad.229880.113**Handle:** 11441/29092**PMID:** 24240235**Código Scopus:** 84887604599**Código WOS:** WOS:000327321300006**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 3**Nº total de autores:** 6**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 12.639**Posición de publicación:** 11**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 12.639**Posición de publicación:** 2**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 12.639**Posición de publicación:** 7**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 14.209**Posición de publicación:** 2**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 14.209**Posición de publicación:** 6**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Science Edition - CELL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 185**Categoría:** Science Edition - DEVELOPMENTAL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 41**Categoría:** Science Edition - GENETICS & HEREDITY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 165**Categoría:** Developmental Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 84**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 326**Citas:** 64**Citas:** 65

- 27** García-Rubio, María L.; Aguilera, Andrés. Topological constraints impair RNA polymerase II transcription and causes instability of plasmid-borne convergent genes. NUCLEIC ACIDS RESEARCH. 40 - 3, pp. 1050 - 1064. OXFORD UNIV PRESS, 2012. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1093/nar/gkr840>>. ISSN 0305-1048, ISSN 1362-4962

DOI: 10.1093/nar/gkr840**Handle:** 11441/23294**PMID:** 21998294**Código Scopus:** 84856891849**Código WOS:** WOS:000300422400019

**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 1**Nº total de autores:** 2**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 6.329**Posición de publicación:** 14**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 8.278**Posición de publicación:** 27**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 319**Categoría:** Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 290**Citas:** 23**Citas:** 22

28 Tous, Cristina; Rondón, Ana G.; García-Rubio, María; González-Aguilera, Cristina; Luna, Rosa; Aguilera, Andrés. A novel assay identifies transcript elongation roles for the Nup84 complex and RNA processing factors. EMBO JOURNAL. 30 - 10, pp. 1953 - 1964. WILEY; SPRINGER NATURE, 2011. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1038/emboj.2011.109>>. ISSN 0261-4189, ISSN 1460-2075

DOI: 10.1038/emboj.2011.109**PMID:** 21478823**Código Scopus:** 79956064795**Código WOS:** WOS:000291645400011**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 3**Nº total de autores:** 6**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 8.654**Posición de publicación:** 11**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 8.654**Posición de publicación:** 13**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 8.654**Posición de publicación:** 4**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 8.654**Posición de publicación:** 7**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 9.205**Posición de publicación:** 20**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 9.205**Posición de publicación:** 21**Fuente de citas:** WOS**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Molecular Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 378**Categoría:** Medicine (miscellaneous)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 2.857**Categoría:** Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 224**Categoría:** Neuroscience (miscellaneous)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 145**Categoría:** Science Edition - CELL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 181**Categoría:** Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 290**Citas:** 48



Fuente de citas: SCOPUS

Citas: 46

- 29** Gómez-González, Belén; García-Rubio, María; Bermejo, Rodrigo; Gaillard, Hélène; Shirahige, Katsuhiko; Marín, Antonio; Foiani, Marco; Aguilera, Andrés. Genome-wide function of THO/TREX in active genes prevents R-loop-dependent replication obstacles. EMBO JOURNAL. 30 - 15, pp. 3106 - 3119. WILEY; SPRINGER NATURE, 2011. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1038/emboj.2011.206>>. ISSN 0261-4189, ISSN 1460-2075

DOI: 10.1038/emboj.2011.206

PMID: 21701562

Código Scopus: 79961031438

Código WOS: WOS:000293970800013

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 2

Nº total de autores: 8

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 8.654

Posición de publicación: 11

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 8.654

Posición de publicación: 13

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 8.654

Posición de publicación: 4

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 8.654

Posición de publicación: 7

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 9.205

Posición de publicación: 20

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 9.205

Posición de publicación: 21

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 378

Categoría: Medicine (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 2.857

Categoría: Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 224

Categoría: Neuroscience (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 145

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 181

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 290

Citas: 173

Citas: 176

- 30** Jimeno, Sonia; Tous, Cristina; García-Rubio, María L.; Ranes, Michael; González-Aguilera, Cristina; Marín, Antonio; Aguilera, Andrés. New Suppressors of THO Mutations Identify Thp3 (Ypr045c)-Csn12 as a Protein Complex Involved in Transcription Elongation. MOLECULAR AND CELLULAR BIOLOGY. 31 - 4, pp. 674 - 685. AMER SOC MICROBIOLOGY, 2011. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1128/MCB.01188-10>>. ISSN 0270-7306, ISSN 1098-5549

DOI: 10.1128/MCB.01188-10

Handle: 11441/29151

PMID: 21149575

Código Scopus: 79251567657

Código WOS: WOS:000286596600007

Tipo de producción: Artículo científico

Tipo de soporte: Revista

**Posición de firma:** 3**Nº total de autores:** 7**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.427**Posición de publicación:** 21**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.427**Posición de publicación:** 25**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 5.527**Posición de publicación:** 41**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 5.527**Posición de publicación:** 46**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Categoría:** Cell Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 264**Categoría:** Molecular Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 378**Categoría:** Science Edition - CELL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 181**Categoría:** Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 290**Citas:** 12**Citas:** 11

- 31** Díaz De La Loza, María Del Carmen; Gallardo, Mercedes; García-Rubio, María Luisa; Izquierdo, Alicia; Herrero, Enrique; Aguilera, Andrés; Wellinger, Ralf Erik. Zim17/Tim15 links mitochondrial iron-sulfur cluster biosynthesis to nuclear genome stability. NUCLEIC ACIDS RESEARCH. 39 - 14, pp. 6002 - 6015. OXFORD UNIV PRESS, 2011. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1093/nar/gkr193>>. ISSN 0305-1048, ISSN 1362-4962

DOI: 10.1093/nar/gkr193**Handle:** 11441/71202**PMID:** 21511814**Código Scopus:** 80051718867**Código WOS:** WOS:000293919600023**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 3**Nº total de autores:** 7**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.976**Posición de publicación:** 14**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 8.026**Posición de publicación:** 26**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 319**Categoría:** Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 290**Citas:** 19**Citas:** 22

- 32** Gaillard, Hélène; Tous, Cristina; Botet, Javier; González-Aguilera, Cristina; Quintero, Maria José; Viladevall, Laia; García-Rubio, María L.; Rodríguez-Gil, Alfonso; Marín, Antonio; Ariño, Joaquín; Revuelta, José Luis; Chávez, Sebastián; Aguilera, Andrés. Genome-Wide Analysis of Factors Affecting Transcription Elongation and DNA Repair: A New Role for PAF and Ccr4-Not in Transcription-Coupled Repair. PLOS GENETICS. 5 - 2, pp. E1000364-1 - E1000364-15. PUBLIC LIBRARY SCIENCE, 2009. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1371/journal.pgen.1000364>>. ISSN 1553-7404

**DOI:** 10.1371/journal.pgen.1000364**Handle:** 11441/29122**PMID:** 19197357**Código Scopus:** 61449213011**Código WOS:** WOS:000266320000005**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 7**Nº total de autores:** 13**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.762**Posición de publicación:** 13**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.762**Posición de publicación:** 22**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.762**Posición de publicación:** 5**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.762**Posición de publicación:** 6**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.762**Posición de publicación:** 6**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 9.532**Posición de publicación:** 10**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 293**Categoría:** Molecular Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 355**Categoría:** Genetics (clinical)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 87**Categoría:** Cancer Research**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 186**Categoría:** Ecology, Evolution, Behavior and Systematics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 525**Categoría:** Science Edition - GENETICS & HEREDITY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 146**Citas:** 76**Citas:** 76

- 33** Yaakov, Gilad; Duch, Alba; García-Rubio, María; Clotet, Josep; Jimenez, Javier; Aguilera, Andrés; Posas, Francesc. The Stress-activated Protein Kinase Hog1 Mediates S Phase Delay in Response to Osmostress. MOLECULAR BIOLOGY OF THE CELL. 20 - 15, pp. 3572 - 3582. AMER SOC CELL BIOLOGY, 2009. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1091/mbc.E09-02-0129>>. ISSN 1059-1524, ISSN 1939-4586

DOI: 10.1091/mbc.E09-02-0129**Handle:** 11441/61934**PMID:** 19477922**Código Scopus:** 68149132943**Código WOS:** WOS:000268545300013**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 3**Nº total de autores:** 7**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.862**Posición de publicación:** 17**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Cell Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 245**Categoría:** Molecular Biology



Índice de impacto: 5.862
Posición de publicación: 21

Fuente de impacto: WOS (JCR)
Índice de impacto: 5.979
Posición de publicación: 35

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 355

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 162

Citas: 57

Citas: 53

- 34** Jimeno, Sonia; García-Rubio, María; Luna, Rosa; Aguilera, Andrés. A reduction in RNA polymerase II initiation rate suppresses hyper-recombination and transcription-elongation impairment of THO mutants. MOLECULAR GENETICS AND GENOMICS. 280 - 4, pp. 327 - 336. SPRINGER; SPRINGER HEIDELBERG, 2008. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1007/s00438-008-0368-8>>. ISSN 1617-4615, ISSN 1617-4623

DOI: 10.1007/s00438-008-0368-8

PMID: 18682986

Código Scopus: 51349129990

Código WOS: WOS:000258902300006

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 2

Nº total de autores: 4

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.581

Posición de publicación: 116

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.581

Posición de publicación: 168

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.581

Posición de publicación: 73

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 2.838

Posición de publicación: 121

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 2.838

Posición de publicación: 62

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 324

Categoría: Medicine (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 2.742

Categoría: Genetics

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 252

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 275

Categoría: Science Edition - GENETICS & HEREDITY

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 138

Citas: 11

Citas: 11

- 35** García-Rubio, María; Chávez, Sebastián; Huertas, Pablo; Tous, Cristina; Jimeno, Sonia; Luna, Rosa; Aguilera, Andrés. Different physiological relevance of yeast THO/TREX subunits in gene expression and genome integrity. MOLECULAR GENETICS AND GENOMICS. 279 - 2, pp. 123 - 132. SPRINGER; SPRINGER HEIDELBERG, 2008. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1007/s00438-007-0301-6>>. ISSN 1617-4615, ISSN 1617-4623

DOI: 10.1007/s00438-007-0301-6

PMID: 17960421

Código Scopus: 38149103417

Código WOS: WOS:000252281100002

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 1

Nº total de autores: 7

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.581

Posición de publicación: 116

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.581

Posición de publicación: 168

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 1.581

Posición de publicación: 73

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 2.838

Posición de publicación: 121

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 2.838

Posición de publicación: 62

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 324

Categoría: Medicine (miscellaneous)

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 2.742

Categoría: Genetics

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 252

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 275

Categoría: Science Edition - GENETICS & HEREDITY

Revista dentro del 25%: No

Num. revistas en cat.: 138

Citas: 28

Citas: 30

36 Palancade, Benoit; Liu, Xianpeng; Garcia-Rubio, Maria; Aguilera, Andrès; Zhao, Xianlan; Doye, Valérie. Nucleoporins prevent DNA damage accumulation by modulating Ulp1-dependent sumoylation processes. MOLECULAR BIOLOGY OF THE CELL. 18 - 8, pp. 2912 - 2923. AMER SOC CELL BIOLOGY, 2007. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1091/mbc.E07-02-0123>>. ISSN 1059-1524, ISSN 1939-4586

DOI: 10.1091/mbc.E07-02-0123

Handle: 11441/29201

PMID: 17538013

Código Scopus: 34547726640

Código WOS: WOS:000248581400013

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 6

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 6.028

Posición de publicación: 30

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 6.115

Posición de publicación: 15

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 6.115

Posición de publicación: 17

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 156

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 219

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 305

Citas: 116

Citas: 115

- 37** Huertas, Pablo; García-Rubio, María L.; Wellinger, Ralf E.; Luna, Rosa; Aguilera, Andrés. An hpr1 point mutation that impairs transcription and mRNP biogenesis without increasing recombination. MOLECULAR AND CELLULAR BIOLOGY. 26 - 20, pp. 7451 - 7465. AMER SOC MICROBIOLOGY, 2006. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1128/MCB.00684-06>>. ISSN 0270-7306, ISSN 1098-5549

DOI: 10.1128/MCB.00684-06

Handle: 11441/61926

PMID: 16908536

Código Scopus: 33749609648

Código WOS: WOS:000241252300010

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 2

Nº total de autores: 5

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 6.657

Posición de publicación: 13

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 6.657

Posición de publicación: 15

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 6.773

Posición de publicación: 25

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 6.773

Posición de publicación: 30

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 212

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 294

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 156

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 262

Citas: 33

Citas: 37

- 38** Jimeno, Sonia; Luna, Rosa; García-Rubio, María; Aguilera, Andrés. Tho1, a novel hnRNP, and Sub2 provide alternative pathways for mRNP biogenesis in yeast THO mutants. MOLECULAR AND CELLULAR BIOLOGY. 26 - 12, pp. 4387 - 4398. AMER SOC MICROBIOLOGY, 2006. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1128/MCB.00234-06>>. ISSN 0270-7306, ISSN 1098-5549

DOI: 10.1128/MCB.00234-06

Handle: 11441/61927

PMID: 16738307

Código Scopus: 33745019319

Código WOS: WOS:000238143100001

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 4

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 6.657

Posición de publicación: 13

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 6.657

Posición de publicación: 15

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 212

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí

Num. revistas en cat.: 294

Fuente de impacto: WOS (JCR)
Índice de impacto: 6.773
Posición de publicación: 25

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 6.773
Posición de publicación: 30

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY
Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 156

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 262

Citas: 42

Citas: 44

- 39** Luna, Rosa; Jimeno, Sonia; Marín, Mercedes; Huertas, Pablo; García-Rubio, María; Aguilera, Andrés. Interdependence between transcription and mRNP processing and export, and its impact on genetic stability. MOLECULAR CELL. 18 - 6, pp. 711 - 722. CELL PRESS (Elsevier); CELL PRESS, 2005. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1016/j.molcel.2005.05.001>>. ISSN 1097-2765, ISSN 1097-4164

DOI: 10.1016/j.molcel.2005.05.001

PMID: 15949445

Código Scopus: 20444366920

Código WOS: WOS:000229818200012

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 5

Nº total de autores: 6

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.971

Posición de publicación: 6

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 14.971

Posición de publicación: 7

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 15.371

Posición de publicación: 2

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 15.371

Posición de publicación: 2

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 261

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 153

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 206

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 283

Citas: 100

Citas: 106

- 40** Rondón, Ana G.; Gallardo, Mercedes; García-Rubio, María; Aguilera, Andrés. Molecular evidence indicating that the yeast PAF complex is required for transcription elongation. EMBO REPORTS. 5 - 1, pp. 47 - 53. WILEY; SPRINGER NATURE, 2004. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1038/sj.embor.7400045>>. ISSN 1469-221X, ISSN 1469-3178

DOI: 10.1038/sj.embor.7400045

PMID: 14710186

Código Scopus: 1242298517

Código WOS: WOS:000188812600011

Tipo de producción: Artículo científico

Tipo de soporte: Revista

**Posición de firma:** 3**Nº total de autores:** 4**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.477**Posición de publicación:** 14**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.477**Posición de publicación:** 17**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 5.477**Posición de publicación:** 5**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 7.567**Posición de publicación:** 19**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 7.567**Posición de publicación:** 25**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 223**Categoría:** Molecular Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 273**Categoría:** Biochemistry**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 282**Categoría:** Science Edition - CELL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 155**Categoría:** Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 261**Citas:** 86**Citas:** 84

- 41** Rondon, AG; Garcia-Rubio, M; Gonzalez-Barrera, S; Aguilera, A. Molecular evidence for a positive role of Spt4 in transcription elongation. EMBO JOURNAL. 22 - 3, pp. 612 - 620. WILEY; SPRINGER NATURE, 2003. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1093/emboj/cdg047>>. ISSN 0261-4189, ISSN 1460-2075

DOI: 10.1093/emboj/cdg047**PMID:** 12554661**Código Scopus:** 0037415686**Código WOS:** WOS:000181030200025**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 2**Nº total de autores:** 4**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 10.214**Posición de publicación:** 3**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 10.214**Posición de publicación:** 3**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 10.214**Posición de publicación:** 5**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 10.214**Posición de publicación:** 6**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Neuroscience (miscellaneous)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 100**Categoría:** Biochemistry, Genetics and Molecular Biology (miscellaneous)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 122**Categoría:** Molecular Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 265**Categoría:** Medicine (miscellaneous)**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 2.795



Índice de impacto: 10.456
Posición de publicación: 10

Fuente de impacto: WOS (JCR)
Índice de impacto: 10.456
Posición de publicación: 14

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 261

Categoría: Science Edition - CELL BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 156

Citas: 83

Citas: 81

- 42** Rondón, Ana G.; Jimeno, Sonia; García-Rubio, María; Aguilera, Andrés. Molecular evidence that the eukaryotic THO/TREX complex is required for efficient transcription elongation. JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY. 278 - 40, pp. 39037 - 39043. AMER SOC BIOCHEMISTRY MOLECULAR BIOLOGY INC; ELSEVIER, 2003. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1074/jbc.M305718200>>. ISSN 0021-9258, ISSN 1083-351X

DOI: 10.1074/jbc.M305718200

Handle: 11441/61929

PMID: 12871933

Código Scopus: 0141643143

Código WOS: WOS:000185575100116

Tipo de producción: Artículo científico

Posición de firma: 3

Nº total de autores: 4

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.512

Posición de publicación: 20

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.512

Posición de publicación: 20

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Índice de impacto: 4.512

Posición de publicación: 7

Fuente de impacto: WOS (JCR)

Índice de impacto: 6.482

Posición de publicación: 31

Fuente de citas: WOS

Fuente de citas: SCOPUS

Tipo de soporte: Revista

Categoría: Cell Biology

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 199

Categoría: Molecular Biology

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 265

Categoría: Biochemistry

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 277

Categoría: Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY

Revista dentro del 25%: Sí
Num. revistas en cat.: 261

Citas: 96

Citas: 93

- 43** García-Rubio, María Luisa; Huertas, Pablo; González-Barrera, Sergio; Aguilera, Andrés. Recombinogenic effects of DNA-damaging agents are synergistically increased by transcription in *Saccharomyces cerevisiae*: New insights into transcription-associated recombination. GENETICS. 165 - 2, pp. 457 - 466. GENETICS SOCIETY AMERICA, 2003. ISSN 0016-6731, ISSN 1943-2631

PMID: 14573461

Código Scopus: 0141467384

Código WOS: WOS:000186224900002

Tipo de producción: Artículo científico

Tipo de soporte: Revista

**Posición de firma:** 1**Nº total de autores:** 4**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 3.998**Posición de publicación:** 19**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 4.276**Posición de publicación:** 24**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 216**Categoría:** Science Edition - GENETICS & HEREDITY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 120**Citas:** 44**Citas:** 45

- 44** González-Barrera, Sergio; García-Rubio, María Luisa; Aguilera, Andrés. Transcription and double-strand breaks induce similar mitotic recombination events in *Saccharomyces cerevisiae*. GENETICS. 162 - 2, pp. 603 - 614. GENETICS SOCIETY AMERICA, 2002. ISSN 0016-6731, ISSN 1943-2631

PMID: 12399375**Código Scopus:** 0036811127**Código WOS:** WOS:000179058100008**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 2**Nº total de autores:** 3**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 3.934**Posición de publicación:** 16**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 4.483**Posición de publicación:** 23**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 213**Categoría:** Science Edition - GENETICS & HEREDITY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 115**Citas:** 59**Citas:** 59

- 45** Chavez, S; Garcia-Rubio, M; Prado, F; Aguilera, A. Hpr1 is preferentially required for transcription of either long or G+C-Rich DNA sequences in *Saccharomyces cerevisiae*. MOLECULAR AND CELLULAR BIOLOGY. 21 - 20, pp. 7054 - 7064. AMER SOC MICROBIOLOGY, 2001. Disponible en Internet en: <<https://doi.org/10.1128/MCB.21.20.7054-7064.2001>>. ISSN 0270-7306, ISSN 1098-5549

DOI: 10.1128/MCB.21.20.7054-7064.2001**Handle:** 11441/62052**PMID:** 11564888**Código Scopus:** 0034808138**Código WOS:** WOS:000171112500032**Tipo de producción:** Artículo científico**Posición de firma:** 2**Nº total de autores:** 4**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 8.631**Posición de publicación:** 7**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 8.631**Tipo de soporte:** Revista**Categoría:** Molecular Biology**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 245**Categoría:** Cell Biology**Revista dentro del 25%:** Sí

**Posición de publicación:** 9**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 9.836**Posición de publicación:** 15**Fuente de impacto:** WOS (JCR)**Índice de impacto:** 9.836**Posición de publicación:** 17**Fuente de citas:** WOS**Fuente de citas:** SCOPUS**Num. revistas en cat.:** 190**Categoría:** Science Edition - CELL BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 147**Categoría:** Science Edition - BIOCHEMISTRY & MOLECULAR BIOLOGY**Revista dentro del 25%:** Sí**Num. revistas en cat.:** 308**Citas:** 100**Citas:** 100

- 46** García-Rubio, María; Soler-Oliva, María E.; Aguilera, Andrés. Genome-Wide Analysis of DNA-RNA Hybrids in Yeast by DRIPc-Seq and DRIP-Seq. R-Loops: methods and protocols. 2528, pp. 429 - 443. SPRINGER, 2022. Disponible en Internet en: <https://doi.org/10.1007/978-1-0716-2477-7_28>. ISSN 1064-3745, ISSN 1940-6029, ISBN 978-1-0716-2476-0, ISBN 978-1-0716-2477-7, ISBN 978-1-0716-2479-1

DOI: 10.1007/978-1-0716-2477-7_28**PMID:** 35704208**Código Scopus:** 85132131531**Colección:** Methods in molecular biology**Tipo de producción:** Capítulo de libro**Posición de firma:** 1**Nº total de autores:** 3**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 0.422**Posición de publicación:** 260**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 0.422**Posición de publicación:** 327**Fuente de citas:** SCOPUS**Tipo de soporte:** Libro**Grado de contribución:** Autor/a o coautor/a de capítulo de libro**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** No**Num. revistas en cat.:** 363**Categoría:** Molecular Biology**Revista dentro del 25%:** No**Num. revistas en cat.:** 432**Citas:** 0

- 47** García-Rubio, María; Barroso, Sonia I.; Aguilera, Andrés. Detection of DNA-RNA hybrids in vivo. GENOME INSTABILITY: METHODS AND PROTOCOLS. 1672, pp. 347 - 361. HUMANA PRESS INC, 2018. Disponible en Internet en: <https://doi.org/10.1007/978-1-4939-7306-4_24>. ISSN 1064-3745, ISSN 1940-6029, ISBN 978-1-4939-7305-7, ISBN 978-1-4939-7306-4

DOI: 10.1007/978-1-4939-7306-4_24**Handle:** 11441/78286**PMID:** 29043635**Código Scopus:** 85032867650**Código WOS:** WOS:000475421900025**Colección:** Methods in molecular biology**Tipo de producción:** Capítulo de libro**Posición de firma:** 1**Nº total de autores:** 3**Fuente de impacto:** SCOPUS (SJR)**Índice de impacto:** 0.605**Tipo de soporte:** Libro**Grado de contribución:** Autor/a o coautor/a de capítulo de libro**Autor de correspondencia:** Sí**Categoría:** Genetics**Revista dentro del 25%:** No



Posición de publicación: 229

Num. revistas en cat.: 356

Fuente de impacto: SCOPUS (SJR)

Categoría: Molecular Biology

Índice de impacto: 0.605

Revista dentro del 25%: No

Posición de publicación: 292

Num. revistas en cat.: 423

Fuente de citas: WOS

Citas: 33

Fuente de citas: SCOPUS

Citas: 38

Trabajos presentados en congresos nacionales o internacionales

- 1 Título del trabajo:** Proper cellular stoichiometry of the Yra1 RNA-binding factor is essential for the maintenance of genome integrity.
Nombre del congreso: Gene transcription in yeast: from chromatin to RNA and back.
Ciudad de celebración: San Feliu de Guixols,
Fecha de celebración: 11/06/2018
Fecha de finalización: 16/06/2016
Entidad organizadora: EMBO
Maria García Rubio; Sandra Gavaldá; Jose María Santos Pereira; Rosa Luna; Andrés Aguilera.
- 2 Título del trabajo:** The interface between transcription and replication.
Nombre del congreso: Gene transcription in yeast
Ciudad de celebración: San Feliu de Guixols, España
Fecha de celebración: 09/06/2018
Fecha de finalización: 14/06/2018
Entidad organizadora: EMBO
Andrés Aguilera; Maria García Rubio; Marta San Martín Alonso; Tatiana García Muse; Ana García Rondón.
- 3 Título del trabajo:** New insights into recombinational repair of replication-born DNA breaks
Nombre del congreso: Mechanism of Recombination
Ciudad de celebración: London, Reino Unido
Fecha de celebración: 20/05/2018
Fecha de finalización: 22/05/2018
Entidad organizadora: Abcam
Pedro Ortega Moreno; Maria García Rubio; Belén Gómez González; Andrés Aguilera.
- 4 Título del trabajo:** New insights into recombinational repair of replication-born DNA breaks
Nombre del congreso: Mechanism of Recombination
Ciudad de celebración: London, Reino Unido
Fecha de celebración: 20/05/2018
Fecha de finalización: 22/05/2018
Entidad organizadora: Abcam
Pedro Ortega Moreno; Maria García Rubio; Belén Gómez González; Andrés Aguilera.
- 5 Título del trabajo:** Understanding R loop-mediated genome instability: a new role for histone and chromatin modifications.
Nombre del congreso: 12th International conference and 5th Asian congress on environmental mutagens.
Ciudad de celebración: Corea, China
Fecha de celebración: 12/11/2017
Fecha de finalización: 16/11/2017



Desiré García Pichardo; Irene Salas Armentero; Juan C Cañas; Carmen Pérez Calero; Maria L García Rubio; Belen Gómez González; Ana García Rondón; Rosa Luna; Andrés Aguilera.

6 Título del trabajo: Role of DNA damage response functions in R loop-mediated genome instability.

Nombre del congreso: The DNA damage and response in cell physiology and disease

Ciudad de celebración: Athens, Grecia

Fecha de celebración: 02/10/2017

Fecha de finalización: 06/10/2017

Entidad organizadora: EMBO

Sonia Barroso; Carmen Pérez Calero; Emilia Herrera Moyano; Maria García Rubio; Jose M Claderón Montaña.

7 Título del trabajo: Chromatin restricts R loop formation and deleterious effect.

Nombre del congreso: Regulation of RNA 3' end and formation across eukaryotic genomes

Ciudad de celebración: Oxford, Reino Unido

Fecha de celebración: 20/09/2017

Fecha de finalización: 24/09/2017

Entidad organizadora: EMBO

Desiré García Pichardo; Maria García Rubio; Ana García Rondón; Andrés Aguilera.

8 Título del trabajo: Interplay between R loops and chromatin modifications as a source of genome instability

Nombre del congreso: Genetic Recombination and Genome rearrangements

Ciudad de celebración: Colorado, Estados Unidos de América

Fecha de celebración: 16/07/2017

Fecha de finalización: 21/07/2017

Entidad organizadora: Faaseb

Desiré García Pichardo; Juan C Cañas; María García Rubio; Belén Gómez González; Ana García Rodón; Andrés Aguilera.

9 Título del trabajo: Rloops do not cause genome instability by themselves.

Nombre del congreso: 2nd DNA Replications as a Source of DNA damage: From Molecules to Human Health

Ciudad de celebración: Roma, Italia

Fecha de celebración: 03/07/2017

Fecha de finalización: 06/07/2017

Entidad organizadora: Fusion Conferences Limited

Desiré García Pichardo; Juuan C Cañas; Maria L García Rubio; Belén Gómez González; Ana García rondón; Andrés Aguilera.

10 Título del trabajo: Coordinated action of RNA-Binding Factors and Chromatin remodeling to prevent genome instability.

Nombre del congreso: 56th Annual Meeting and ToxExpo

Ciudad de celebración: Baltimore, Estados Unidos de América

Fecha de celebración: 12/03/2017

Fecha de finalización: 16/03/2017

Entidad organizadora: Society of Toxicology

Andrés Aguilera; Irene Salas Armentero; Desiré García Pichardo; Maria García Rubio; Ana García Rondón; Rosa Luna.



- 11 Título del trabajo:** New factor involved in recombination-mediates restart of broken forks.
Nombre del congreso: Mechanisms of Recombination
Ciudad de celebración: Alicante, España
Fecha de celebración: 15/05/2016
Fecha de finalización: 20/05/2016
Entidad organizadora: Abcam
Sandra Muñoz Galván; María García Rubio; Benjamín Pardo; Jose F Ruiz; Belén Gómez González; Andrés Aguilera.
- 12 Título del trabajo:** RNA-DNA hybrids as a modulator of chromatin structure and genome instability.
Nombre del congreso: XVI Congreso de la SEBC
Fecha de celebración: 29/06/2015
Fecha de finalización: 01/07/2015
Entidad organizadora: Sociedad Española de Biología Celular
María García Rubio; Irene Salas Armentero; Carmen Pérez Calero; Emilia Herrera Moyano; Emanuela Tumini; Sonia Barroso; Rosa Luna; Andrés Aguilera.
- 13 Título del trabajo:** A genome-wide function of THSC/TREX-2 at active genes prevents transcription-replication collisions.
Nombre del congreso: Workshop: current trends in biomedicine.
Ciudad de celebración: Baeza, España
Fecha de celebración: 03/11/2014
Fecha de finalización: 05/11/2014
Entidad organizadora: UNIA
Ciudad entidad organizadora: España
Jose María Santos Pereira; María L García Rubio; Cristina González Aguilera; Rosa Luna; Andrés Aguilera.
- 14 Título del trabajo:** Stoichiometry of Yra1 mRNA export factor impair gene expression and genome stability
Nombre del congreso: EMBO conference Series. Gene transcription in yeast
Ciudad de celebración: San Feliu de Guixols, España
Fecha de celebración: 14/06/2014
Fecha de finalización: 19/06/2014
Entidad organizadora: EMBO
Sandra Gavaldá; María García Rubio; Rosa Luna; Andrés Aguilera.
- 15 Título del trabajo:** Roles of Chromatin, RNA export factors and DSB repair factors in R-loop -mediated genome instability.
Nombre del congreso: 50th Anniversary Meeting of the Holiday Model
Ciudad de celebración: Alicante, España
Fecha de celebración: 19/05/2014
Fecha de finalización: 23/05/2014
Entidad organizadora: Abcam
Vaibhav Bathia; Emilia Herrera Moyano; Sonia Barroso; María García Rubio; Emanuela Tumini; Andrés Aguilera.
- 16 Título del trabajo:** A new role for hnRNP preventing genome instability.
Nombre del congreso: Workshop: Current trends in biomedicine.
Ciudad de celebración: Baeza, España
Fecha de celebración: 18/11/2013
Fecha de finalización: 20/11/2013
Entidad organizadora: Universidad Internacional de Andalucía. UNIA



Ciudad entidad organizadora: Baeza, JAén,

Jose Maria Santos Pereira; Ana B. Herrero; Maria L García Rubio; Antonio Marín; Sergio Moreno; Andrés Aguilera.

17 Título del trabajo: RNA biogenesis and export in genome instability.

Nombre del congreso: XXXVI Congreso SEBBM

Ciudad de celebración: Madrid, España

Fecha de celebración: 04/09/2013

Fecha de finalización: 06/09/2013

Entidad organizadora: Sociedad Española de bioquímica y biología molecular

Ciudad entidad organizadora: Madrid,

Andrés Aguilera; Maikel Castellano Pozo; María García Rubio; Irene Felipe Abrio; Tatiana García Muse; Sonia Barroso.

18 Título del trabajo: From transcription to genome instability impact of RNAPII mutations.

Nombre del congreso: 26 26 th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology

Ciudad de celebración: Frankfurt,

Fecha de celebración: 29/08/2013

Fecha de finalización: 03/09/2013

Ciudad entidad organizadora: Alemania

Juan Lafuente Barquero; Irene Felipe Abrio; Maria García Rubio; Sonia Barroso; Andrés Aguilera.

19 Título del trabajo: Genome integrity maintenance by Fact during DNA replication

Nombre del congreso: Celebrating the 50th anniversary of the Replicon Theory

Ciudad de celebración: París, Francia

Fecha de celebración: 25/03/2013

Fecha de finalización: 28/03/2013

Entidad organizadora: Institut Pasteur

Emilia Herrera Moyano; Xenia Mergui; Maria García Rubio; Andrés Aguilera.

20 Título del trabajo: Role of yeast and human FACT in DNA replication and genomic stability.

Nombre del congreso: EMBO Workshop. Recombination Mechanism and Genome Instability

Ciudad de celebración: Jerez de la Frontera, España

Fecha de celebración: 21/05/2012

Fecha de finalización: 25/05/2012

Entidad organizadora: EMBO

Emilia Herrera Moyano; Xenia Mergui; Maria García Rubio; Andrés Aguilera.

21 Título del trabajo: New suppressors of THO mutations identify Thp3-Csn12 as a protein complex involved in transcription.

Nombre del congreso: EMBO Conference on gene transcription in Yeats San Feliu de Guixols

Ciudad de celebración: San Feliu de Guixols, España

Fecha de celebración: 19/06/2010

Fecha de finalización: 24/06/2010

Entidad organizadora: EMBO

María García Rubio; Sonia Jimeno; Michael Ranes; Cristina González Aguilera; Antonio Marín; Andrés Aguilera.

22 Título del trabajo: Biogénesis de mRNPs y elongación de la transcripción: THSC y Nab2 en la interfase transcripción y transporte del ARNm.

Nombre del congreso: XXXVII Congreso Seg



Ciudad de celebración: Malaga, Torremolinos, España

Fecha de celebración: 29/09/2009

Fecha de finalización: 02/10/2009

Entidad organizadora: Sociedad española de Genética

Rosa Luna Varo; Cristina González Aguilera; Cristina Tous; Belén Gómez González; Maria L García Rubio; Andrés Aguilera.

- 23 Título del trabajo:** Genome-wide analysis of factors affecting transcription elongation and DNA repair, a new role for PAF and Ccr4-Not in transcription coupled repair

Nombre del congreso: 3rd Clg symposium Genomics, a new road for science and society

Ciudad de celebración: Lausanne, Suiza

Fecha de celebración: 16/06/2009

Fecha de finalización: 17/06/2009

Entidad organizadora: University of Lausanne

Helene Gailard; Cristina Tous; Javier Botete; Cristina González Aguilera; Maria José Quintero; Maria L García Rubio; Alfonso Rodríguez Gil; Antonio Marín; Joaquín Ariño; Jose Luis Revuelta; Laia Viladeal; Sebastián Chávez; Andrés Aguilera.

- 24 Título del trabajo:** Gene expression in the absence of topoisomerases I and II in *S. cerevisiae*.

Nombre del congreso: EMBO Workshop. Gene transcription in yeast

Ciudad de celebración: San Feliu de Guixols,

Fecha de celebración: 21/06/2008

Fecha de finalización: 26/06/2008

Entidad organizadora: EMBO

Ciudad entidad organizadora: España

Maria L. García Rubio; Andrés Aguilera.

- 25 Título del trabajo:** Gene expression in the absence of topoisomerases I and II in *S. cerevisiae*.

Nombre del congreso: Encuentro internacional "Mechanistic and integrative aspects of mRNA synthesis

Ciudad de celebración: Baeza, España

Fecha de celebración: 01/10/2007

Fecha de finalización: 03/10/2007

Entidad organizadora: Universidad Internacional de Andalucía e Instituto de Salud Carlos III

Maria García Rubio; Andrés Aguilera.

- 26 Título del trabajo:** Mechanism of Transcription-Associated Genetic Instability.

Nombre del congreso: Genome instability and repair

Ciudad de celebración: Colorado, Estados Unidos de América

Fecha de celebración: 17/01/2007

Fecha de finalización: 22/01/2007

Entidad organizadora: Keystone Symposia on Molecular and cellular biology

Belén Gómez González; Pablo Huertas; Ralf Wellinger; María García Rubio; Cristina Tous; Andrés Aguilera.

- 27 Título del trabajo:** mRNP biogenesis and export and its impact in DNA replication

Nombre del congreso: The Functional organization of the cell Nucleus

Ciudad de celebración: Praga,

Fecha de celebración: 05/05/2006

Fecha de finalización: 08/05/2006

Ciudad entidad organizadora: EMBO, República Checa

Andrés Aguilera; Ralf Wellinger; Sonia Jimeno; Pablo Huertas; Félix Prado; Rosa Luna Varo; Maria García Rubio.



- 28 Título del trabajo:** Understanding transcription-associated recombination and sister-chromatid exchanged, two forms of replication-connected recombination
Nombre del congreso: Workshop on Recombinational DNA repair ant its links with DNA replication and chromosome maintenance
Ciudad de celebración: Madrid, España
Fecha de celebración: 13/12/2004
Fecha de finalización: 15/12/2004
Entidad organizadora: Instituto Juan March de Estudio e investigaciones
Maria García Rubio; Andrés Aguilera; Felipe Cortés; Pablo Huertas; Félix Prado; Ralf Wellinger.
- 29 Título del trabajo:** Mechanism of transcription-associated genetic instability
Nombre del congreso: Responses Biologices aux dommages de L'ADN
Ciudad de celebración: Roscoff, Francia
Fecha de celebración: 02/10/2004
Fecha de finalización: 06/10/2004
Entidad organizadora: Conferences LAcques-Mond
Ciudad entidad organizadora: Roscoff,
Andrés Aguilera; Pablo Huertas; Ralf Wellinger; Felix Prado; Maria Luisa García rubio.
- 30 Título del trabajo:** Análisis de la transcripción en ausencia de topoisomerasas I y II de DNA en S. cerevisiae.
Nombre del congreso: XXVII CONGRESO de la SEBBM
Ciudad de celebración: Lleida, España
Fecha de celebración: 12/09/2004
Fecha de finalización: 15/09/2004
Entidad organizadora: Sociedad Española de Bioquímica y Biología Molecular
Maria Luisa García Rubio; Andrés Aguilera López.
- 31 Título del trabajo:** La recombinación inducida por daño en el DNA aumenta sinérgicamente con la transcripción en Saccharomyces cerevisiae.
Nombre del congreso: Congreso Sociedad Española de Genética
Ciudad de celebración: Madrid,
Fecha de celebración: 07/09/2003
Fecha de finalización: 10/09/2003
Entidad organizadora: Sociedad Española de Genética
Ciudad entidad organizadora: España
Maria Luisa García Rubio; Andrés Aguilera López.
- 32 Título del trabajo:** Papel de las topoisomerasas del DNA en la elongación de la transcripción en Saccharomyces cerevisiae.
Nombre del congreso: XXV Congreso de la Sociedad Española de Bioquímica y Biología Molecular
Autor de correspondencia: No
Ciudad de celebración: León, España
Fecha de celebración: 17/09/2002
Fecha de finalización: 20/09/2002
Entidad organizadora: Sociedad Española de Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad entidad organizadora: León,
Maria Luisa García Rubio; Andrés Aguilera López.



- 33 Título del trabajo:** Acoplamiento de la transcripción con el metabolismo del RNA: el complejo THO y otras proteínas relacionadas funcionalmente
Nombre del congreso: Traducción de señales y respuesta a estrés en Levaduras
Ciudad de celebración: Lleida,
Fecha de celebración: 26/06/2002
Fecha de finalización: 28/06/2002
Entidad organizadora: Universitat de Lleida **Tipo de entidad:** Universidad
Ciudad entidad organizadora: Lleida,
 Ana García Rondón; Sonia Jimeno González; GMercedes Gallardo Ortega; Pablo Huertas Sañchez; Maria Luisa García Rubio; Rosa Luna Varo; Andrés Aguilera López.
- 34 Título del trabajo:** Análisis Genético de la recombinación mitótica asociada a transcripción.
Nombre del congreso: Congreso de la SEG
Autor de correspondencia: No
Ciudad de celebración: Sevilla, Andalucía, España
Fecha de celebración: 19/09/2001
Fecha de finalización: 21/09/2001
Entidad organizadora: Sociedad Española de Genética
Ciudad entidad organizadora: Sevilla,
 García Rubio; Aguilera López.
- 35 Título del trabajo:** Transcription-replication conflicts: Rloops as obstacles to replication fork progression.
Nombre del congreso: DNA replication:from basic bioly to disease
Ciudad de celebración: Heidelberg, Alemania
Entidad organizadora: EMBO
 Andrés Aguilera; Sonia Barroso; Maria L García Rubio; Carmen Pérez Calero; Jose F Ruiz; Belén Gómez González; Ana García Rondón.

Actividades de divulgación

- 1 Título del trabajo:** Jornadas Semana de la Ciencia
Nombre del evento: 19 Edición Semana de la ciencia
Ciudad de celebración: Sevilla,
Fecha de celebración: 01/05/2021
Entidad organizadora: Centro Andaluz de Biología Molecular y Medicina Regenerativa **Tipo de entidad:** Organismo Público de Investigación
- 2 Título del trabajo:** Ponencia. Semana de la Ciencia
Nombre del evento: Semana de la Ciencia
Ciudad de celebración: Seevilla,
Fecha de celebración: 01/11/2019
Entidad organizadora: Centro Andaluz de Biología Molecular y Medicina Regenerativa **Tipo de entidad:** Organismo Público de Investigación
- 3 Título del trabajo:** Participación en visitas guiadas semana de la ciencia
Nombre del evento: Semana de la ciencia
Ciudad de celebración: Sevilla,
Fecha de celebración: 01/11/2018
Entidad organizadora: CABIMER



- 4 Título del trabajo:** Profesora de apoyo Programa Campus de Excelencia Internacional Andalucía TECH
Nombre del evento: Programa Campus de Excelencia Internacional Andalucía TECH
Tipo de evento: Docencia
Autor de correspondencia: Sí
Ciudad de celebración: Sevilla, Andalucía, España
Fecha de celebración: 01/07/2018
Entidad organizadora: Junta de Andalucía

Otros méritos

Estancias en centros públicos o privados

- 1 Entidad de realización:** Centro Andaluz de Biología **Tipo de entidad:** Agencia Estatal del Desarrollo
Ciudad entidad realización: Sevilla, Andalucía, España
Fecha de inicio-fin: 16/04/2017 - 22/10/2017
Objetivos de la estancia: Estancia
Tareas contrastables: Edición del genoma de *C. elegans* mediante CRISPR
Tipo Estancia: Investigación
- 2 Entidad de realización:** IFOM_IEO **Tipo de entidad:** Centros de Innovación y Tecnología
Facultad, instituto, centro: IFOM_IEO
Ciudad entidad realización: Milán, Italia
Fecha de inicio-fin: 01/05/2008 - 30/06/2008
Objetivos de la estancia: Estancia Beca
Tareas contrastables: Aprender técnica ChIP-chip
Tipo Estancia: Investigación

Ayudas y becas obtenidas

Nombre de la ayuda: Short EMBO fellowship
Finalidad: Predoctoral
Entidad concesionaria: EMBO **Tipo de entidad:** Organización Europea de Biología Molecular
Fecha de concesión: 01/05/2008
Fecha de finalización: 30/06/2008

Premios, menciones y distinciones

Descripción: Premio a trabajo de especial relevancia
Entidad concesionaria: Universidad de Sevilla
Ciudad entidad concesionaria: Sevilla, Andalucía, España
Fecha de concesión: 24/04/2019

Períodos de actividad investigadora, docente y de transferencia del conocimiento

Nombre de la actuación: Complemento Autonómico

Entidad acreditante: Junta de Andalucía

Tipo de entidad: Junta de Andalucía

Fecha de obtención: 24/10/2019

Tramo vivo: No

Tipo de actividad: Investigación

Calificación Obtenida: 2 tramos investigación

Año de inicio: 2002

Año de finalización: 2013

Periodo cubierto: 2002, 2003, 2004, 2005, 2006, 2007, 2008, 2009, 2010, 2011, 2012, 2013::/:2002, 2003, 2004, 2005, 2006, 2007, 2008, 2009, 2010, 2011, 2012, 2013

Año de Convocatoria: 2019

Acreditaciones/reconocimientos obtenidos

1 Descripción: Acreditación Profesor Titular

Entidad acreditante: Agencia Nacional de Evaluación de la Calidad y Acreditación

Tipo de entidad: Organismo

Fecha del reconocimiento: 19/12/2023

2 Descripción: Acreditación Profesor contratado Doctor

Entidad acreditante: Agencia Nacional de Evaluación de la Calidad y Acreditación

Tipo de entidad: Organismo

Fecha del reconocimiento: 26/02/2020

3 Descripción: Acreditación Ayudante doctor

Entidad acreditante: Agencia Nacional de Evaluación de la Calidad y Acreditación

Tipo de entidad: Organismo

Fecha del reconocimiento: 26/07/2013