

Fecha del CVA

16/06/2025

Parte A. DATOS PERSONALES

Nombre *	Mercedes		
Apellidos *	Durán Domínguez		
Sexo *	No Contesta	Fecha de Nacimiento *	
DNI/NIE/Pasaporte *		Teléfono *	
URL Web			
Dirección Email			
Identificador científico	Open Researcher and Contributor ID (ORCID) *	0000-0002-6301-9732	
	Researcher ID		
	Scopus Author ID		

* Obligatorio

A.1. Situación profesional actual

Puesto	PROFESORA TITULAR DE UNIVERSIDAD		
Fecha inicio	2025		
Organismo / Institución	Universidad de Valladolid		
Departamento / Centro	Genética Molecular del Cáncer Hereditario / Instituto de Biología y Genética Molecular		
País		Teléfono	
Palabras clave	320000 - Ciencias Médicas		

A.2. Situación profesional anterior

Periodo	Puesto / Institución / País
2023 - 2025	PROFESORA CONTRATADA DOCTORA / Universidad de Valladolid
2020 - 2023	Profesor Ayudante Doctor / Universidad de Valladolid
2002 - 2020	Investigador Contratado / Universidad de Valladolid
2001 - 2002	Investigador contratado / Fundación del cáncer de salamanca
1999 - 2000	Becaria pre-posdoctoral / Universidad de Valladolid
1994 - 1998	Becaria predoctoral / Hospital de Basurto
1991 - 1992	Tercer ciclo-tesina / Universidad de Extremadura

A.3. Formación académica

Grado/Master/Tesis	Universidad / País	Año
Conceptos y métodos de Biología Celular con implicaciones biomédicas	Universidad del País Vasco (UPV)	2000
Tesis de Licenciatura	Universidad de Extremadura	1991
Licenciado en Ciencias (Biológicas)	Universidad de Extremadura	1990

A.4. Indicadores generales de calidad de la producción científica

Acreditación Programa de Incentivación de la incorporación e intensificación de la Actividad Investigadora (Programa I3). Ministerio de Ciencia, Innovación y Universidades
Fecha de concesión: 30/07/2019. Referencia: I3/2019/287.

3 Sexenios de investigación reconocidos: 2003-2008, 2009-2014, 2015-2020 CNEAI número 03.

Acreditaciones ANECA: Profesor Titular de Universidad: 24/11/2023

**Título de Biólogo Sanitario: Colegio Oficial de Biólogos de Castilla y León: 18083-CL
14/12/2023**

Identificación del investigador

Researcher ID : H-9240-2015

Código Orcid : 0000-0002-6301-9732

Scopus Author ID: 56937920400

_Número de tesis doctorales dirigidas en los últimos 10 años: 4

_Promedio de citas/año durante los últimos 5 años (sin incluir el año actual): 1543 (SCOPUS)

_ **Publicaciones Totales: 70: en primer cuartil (Q1): 53; Q2: 7, Q3: 3, Q4: 4 y 3 sin impacto**

_Índice h: 21 (SCOPUS)

Parte B. RESUMEN LIBRE DEL CURRÍCULUM

Mi trayectoria profesional se ha desarrollado en los ámbitos diagnóstico, científico y docente, con especialización en genética humana y cáncer hereditario desde 1999. Desde 2013 soy responsable del Laboratorio de Cáncer Hereditario del Instituto de Biomedicina y Genética Molecular (IBGM) de la Universidad de Valladolid, laboratorio de referencia para el diagnóstico genético de síndromes hereditarios de cáncer en el este de Castilla y León. Soy firmante de informes diagnósticos, acreditada por la AEGH y el Colegio de Biólogos, y desde 2022 coordino a nivel regional el acceso de casos al programa nacional ImPaCT de cáncer hereditario, también en su fase VusCan (2024–2025).

En investigación, poseo tres sexenios, el certificado I3, y he participado en 28 proyectos (IP en varios), con más de 70 publicaciones indexadas y 1 capítulo de libro. He codirigido 4 tesis doctorales, participado en tribunales, dirigido TFM, TFG y colaborado en formación MIR. Formo parte de redes colaborativas como CIMBA y participo en iniciativas de calidad (EMQN). Colaboro en revistas científicas y congresos nacionales e internacionales (AEGH, ASEICA, ESHG, HVP).

Desde febrero de 2025 soy Profesora Titular en Bioquímica y Biología Molecular (UVA), con más de 1.000 horas de docencia impartidas y participación activa en posgrados. Realizo divulgación científica en medios (TVE2, prensa), centros educativos y eventos como NAUKAS. Mi línea de investigación se centra en cáncer hereditario (genes de baja/media penetrancia, reordenamientos genómicos, metilación, modelo poligénico y dianas terapéuticas). Impulso mecenazgo con entidades benéficas para financiar investigación a cambio de visitas científicas guiadas.

Parte C. MÉRITOS MÁS RELEVANTES

C.1. Publicaciones

AC: Autor de correspondencia; (nº x / nº y): posición firma solicitante / total autores. Si aplica, indique el número de citas

- 1 **Artículo científico.** 2025. Genetic Features of Tumours Arising in the Context of Suspected Hereditary Cancer Syndromes with RAD50, RAD51C/D, and BRIP1 Germline Mutations, Results of NGS-Reanalysis of BRCA/MMR-Negative Families. *genes* (Basel). 4-16, pp.458.
- 2 **Artículo científico.** 2024. SpadaHC: a database to improve the classification of variants in hereditary cancer genes in the Spanish population. *Database*.
- 3 **Artículo científico.** Mar Infante; Mónica Arranz; Enrique Lastra; et al; (9/9) Mercedes Durán. 2024. Profiling of the genetic features of patients with breast, ovarian, colorectal and extracolonic cancers: Association to CHEK2 and PALB2 germline mutations. *Clinica Chimica Acta*. 552.

- 4 **Artículo científico.** Lucía Álvarez-Frutos; Daniel Barriuso; (3/7) Mercedes Durán; M^a del Mar Infante; Guido Kroemer; Roberto Palacios-Martínez; Laura Senovilla. 2023. Multiomics insights on the onset, progression, and metastatic evolution of breast cancer. *Frontiers in Oncology*.
- 5 **Artículo científico.** Cesar Gutiérrez; Inmaculada Rodríguez; Carmen Blanco; Ana M^a López; Irene Chivato; (6/7) Mercedes Durán; Enrique Lastra. 2023. Stage IV perihilar cholangiocarcinoma with loss of expression of MSH2 and MSH6: hereditary cancer syndrome?. *Rev Esp Enferm Dig.* 14.
- 6 **Artículo científico.** Mónica Arranz-Ledo; Enrique Lastra; Luis Abella; et al; (9/9) Mercedes Durán (AC). 2023. Multigene germline testing usefulness instead of BRCA1/2 single screening in triple negative breast cancer cases. *Pathology - Research and Practice.* 247-154514.
- 7 **Artículo científico.** Mar; Mónica; Enrique; et al; (9/9) Mercedes Durán. 2022. Increased Co-Occurrence of Pathogenic Variants in Hereditary Breast and Ovarian Cancer and Lynch Syndromes: A Consequence of Multigene Panel Genetic Testing?. *International Journal of Molecular Sciences.* 23-11499.
- 8 **Artículo científico.** Erik Michel Marchena-Perea; Milton Eduardo Salazar-Hidalgo; Alicia Gómez-Sanz; et al; Ana Osorio; (15/18) Mercedes Durán. 2022. A Large Case-Control Study Performed in Spanish Population Suggests That RECQL5 Is the Only RECQ Helicase Involved in Breast Cancer Susceptibility. *Cancers.* 14-4738.
- 9 **Artículo científico.** Elena Bueno-Martínez; Lara Sanoguera-Miralles; Alberto Valenzuela-Palomo; et al; Eladio A Velasco-Sampedro; (10/15) Mercedes Durán. 2022. Minigene-based splicing analysis and ACMG/AMP-based tentative classification of 56 ATM variants. *The Journal of Pathology.* 258-1, pp.83-101.
- 10 **Artículo científico.** Natalia Jimeno; Verónica Velasco; Inmaculada Fierro; (4/5) Mercedes Durán (AC); Alfonso Carvajal. 2021. Association of CNR1 and INSIG2 polymorphisms with antipsychotics induced weight gain: a prospective nested case-control study. *Scientific Reports.* nature. 11.
- 11 **Artículo científico.** (1/6) Mercedes Durán Domínguez; Iris Faull; Enrique Lastra; Jean-Francois Laes; Ana Belén Rodrigo; Ricardo Sánchez-Escribano. 2021. ARID1A genomic alterations driving microsatellite instability through somatic MLH1 methylation with response to immunotherapy in metastatic lung adenocarcinoma: a case report. *Journal of Medical case report.* 15-89.
- 12 **Artículo científico.** A. Beatriz Sánchez Heras; Adela Castillejo; Juan D García Díaz; et al; Jose Luis Soto; (9/25) Mercedes Durán. 2020. Hereditary Leiomyomatosis and Renal Cell Cancer Syndrome in Spain: Clinical and Genetic Characterization. *Cancers.* 12-11, pp.3277.
- 13 **Artículo científico.** Carolina Velázquez; Kim de Leeneer; Eva M^a Esteban; et al; Mar Infante; (10/11) Mercedes Durán. 2020. Germline genetic findings which may impact therapeutic decisions in families with a presumed predisposition for Hereditary Breast and Ovarian Cancer. *Cancers.* 12-8, pp.E2151.
- 14 **Artículo científico.** Carolina Velazquez Pérez; Enrique Lastra Aras; Francisco Avila Cobos; et al; (11/11) Mercedes Durán. 2020. A comprehensive custom panel evaluation for routine hereditary cancer testing: improving the yield of germline mutation detection. *Journal of Translational Medicine.* 18-1, pp.232.
- 15 **Artículo científico.** Alejandro González; Enrique Lastra; (3/10) Mercedes Durán (AC); et al; Blanca Acensión Hernando. 2020. BRCA Tumor Analysis as Molecular Screening for Germline Testing. *ANNALS OF CLINICAL ONCOLOGY.* Science Repository. 3-2.
- 16 **Artículo científico.** 2020. Fine-mapping of 150 breast cancer risk regions identifies 191 likely target genes. *Nature Genetics.* 52(1)-10.1038/s41588-019-, pp.56-73.
- 17 **Artículo científico.** Velázquez C; Esteban-Cardenosa EM; Lastra E; Abella LE; de la Cruz V; Lobatón CD; (7/8) Durán M; Infante M. 2018. A PALB2 truncating mutation: Implication in cancer prevention and therapy of Hereditary Breast and Ovarian Cancer. *Breast.* doi: 10.1016/j.breast.
- 18 **Artículo científico.** Velázquez C; Esteban-Cardenosa EM; Lastra E; Abella LE; de la Cruz V; Lobatón CD; (7/8) Durán M; Infante M. 2018. Unraveling the Molecular Effect of a Rare Missense Mutation in BRIP1 Associated with Inherited Breast Cancer. *Molecular Carcinogenesis.* doi: 10.1002/mc.2291.

- 19 Artículo científico.** Montalban G; Fraile-Bethencourt E; López-Perolio I; et al; Gutiérrez-Enríquez S; (6/12) Durán M. 2018. Characterization of spliceogenic variants located in regions linked to high levels of alternative splicing: BRCA2 c.7976+5G > T as a case study. Hum Mutat. doi: 10.1002/humu.23.

C.2. Congresos

- 1 Incidence of Low-Penetrance BARD1, MUTYH, and RAD50 Variants in Hereditary Cancer Syndromes: A Study of 1200 Samples. European Human Genetics Conference 2025. 2025. Italia.
- 2 25 años de Cáncer Hereditario. XVI Jornada de Actualización en Genética Humana. AEGH. 2024. España.
- 3 Retrospective study of non-informative BRCA1/2 families using NGS. The path towards preventive and personalized medicine. European Human Genetics Conference. ESHG. 2024. Alemania.
- 4 Mónica Arranz; Enrique Lastra; Luis Abella; et al; Mercedes Durán. EL USO DE UN MODELO PREDICTIVO PERMITE MEJORAR EL MANEJO DEL CÁNCER HEREDITARIO DE NATURALEZA POLIGÉNICA. IV Congreso Interdisciplinar en Genética Humana. 2023. España.
- 5 Raquel Almansa; Tellería Juan José; Miguel Ángel de la Fuente; María Simarro; Juan José Garrote; Mercedes Durán; Mónica Arranz; Javier Agudo. Creación de un "Repositorio de Datos Genómicos" y elaboración de nuevas prácticas para mejorar el aprendizaje en el análisis genómico humano. VII Jornadas de Innovación Docente de la UVA. Volver a Construir Juntos. Universidad de Valladolid. 2023. España.
- 6 Usefulness of a predictive model for polygenic Hereditary Cancer Detection. European Human Genetics Conference. ESHG. 2023. Reino Unido.
- 7 A Multigene panel testing reveals high prevalence of germline mutations at prostate cancer. European Human Genetics Conference. 2022. Austria.
- 8 High frequency of clinically actionable pathogenic variants detected with an On-Demand 35-gene panel in Hereditary Breast and Ovarian Cancer Syndrome in Castilla y León (Spain). 54th European Society of Human Genetics (ESHG) Conference. 2021.
- 9 Triple Negative Breast Cancer Risk Identified by Ondemand Gen Panel Testing. 54th European Society of Human Genetics (ESHG) Conference. 2021.
- 10 Alex Teule; José Luís Soto; Adela Castillejo; et al; Ana Beatriz Sánchez. Características genotípicas y fenotípicas individuos con Síndrome de Leiomiomatosis Múltiple y Cáncer Renal Hereditario en España. SEOM-2020. SEOM. 2020. España.
- 11 Ana Beatriz Sanchez-Heras; Juan de Dios García-Díaz; Mercedes Robledo; et al; Jose Luís Soto. Hereditary Leiomyomatosis and renal cell cancer syndrome (HLRCC): Genotype and phenotype characteristics in a cohort of 197 patients.. 2020 ASCO virtual meeting. ASCO. 2020.
- 12 Carolina Velázquez Pérez; Enrique Lastra; Luis Abella; et al; M^a del Mar Infante Sanz. Caracterización de variantes de splicing en RNA de pacientes con Cáncer hereditario no tipificado. II Congreso Interdisciplinar en Genética Humana. AEGH. 2019. España.

C.3. Proyectos y Contratos

- 1 **Proyecto.** "Huella del Exposoma en familias con sospecha de Síndrome Hereditario de Cáncer. Mercedes Durán. (IBGM). 2024-2024. 10.000 €.
- 2 **Proyecto.** Desarrollo de Algoritmo predictivo de modelo poligénico en cáncer familiar. Camino a la Medicina Personalizada. Mercedes Durán 1. (Instituto de Biología y Genética Molecular). 2023-2023. 9.000 €.
- 3 **Proyecto.** Desarrollo de un repositorio de datos genómicos e implantación de prácticas online para mejorar el aprendizaje en el análisis genómico humano.. Almansa Mora. (Universidad de Valladolid). 01/09/2021-31/08/2022.
- 4 **Proyecto.** Early detection strategies for hereditary gastric cancer using multigene analysis in massive sequencing.. 2022-2022. 16.180 €.
- 5 **Proyecto.** Determinación del riesgo heredado a cáncer de próstata. Selección de pacientes que se puedan beneficiar de tratamientos dirigidos. Enrique Lastra Aras. (Instituto de Biología y Genética Molecular). 01/01/2021-31/12/2021. 15.400 €.

- 6 **Proyecto.** OPTIMIZACIÓN DEL TRATAMIENTO FARMACOLÓGICO EN ANCIANOS POLIMEDICADOS A TRAVÉS DE UN ANÁLISIS FARMACOGENÉTICO. Consejería de educación, Junta de Castilla y León. Luis H Martín Arias. (Universidad de Valladolid). 01/01/2019-31/12/2021. 12.000 €.
- 7 **Proyecto.** Modelo poligénico como respuesta a los síndromes cancerosos familiares no tipificados. Diseño de modelo bioinformático y nuevas terapias.. Mercedes Durán Domínguez. (Instituto de Biología y Genética Molecular). 2020-2020. 8.000 €.
- 8 **Proyecto.** Splicing Aberrante en cáncer de mama hereditario: Análisis funcional de genes de susceptibilidad mediante minigenes híbridos. Ministerio de economía y competitividad. (Instituto de Biología y Genética Molecular). 2018-2020. 99.220 €.
- 9 **Proyecto.** Nuevas aproximaciones al Cáncer de Endometrio en familias con sospecha de síndrome de Lynch mediante Secuenciación Masiva.. (Instituto de Biología y Genética Molecular). 2019-2019. 17.978 €.
- 10 **Proyecto.** Análisis de predisposición a cáncer hereditario en pacientes con cáncer. (Instituto de Biología y Genética Molecular). 2018-2018. 17.204 €.
- 11 **Proyecto.** Análisis de predisposición a cáncer hereditario en pacientes con cáncer familiar no tipificado mediante un panel de secuenciación masiva. (Instituto de Biología y Genética Molecular). 2018-2018. 17.204 €.
- 12 **Proyecto.** UNIDAD DE BIOINFORMÁTICA Y GENÓMICA DEL IBGM PARA EL ANÁLISIS MULYIÓMICO Y EL DESARROLLO DE ALGORITMOS PREDICTIVOS Y LA BIOLOGÍA COMPUTACIONAL EN CÁNCER, ENFERMEDADES PREVALENTES Y ENVEJECIMIENTO. Carlos Villalobos. (IBGM). Desde 2024.
- 13 **Proyecto.** Ampliación del "Repositorio de Datos Genómicos" y creación de nuevas prácticas para mejorar el aprendizaje en el análisis genómico humano. (Universidad de Valladolid). Desde 2023.
- 14 **Contrato.** Programa de prevención del cáncer hereditario de la junta de Castilla y León 01/01/2022-01/01/2024. 130.000 €.
- 15 **Contrato.** Programa de Prevención del Cáncer Hereditario Mercedes Durán Domínguez. Desde 01/01/2020.
- 16 **Contrato.** Ayudas IBGM-JCyL: IBGM/CS2019-IP5 2019-01/01/2020. 5.000 €.

C.5. Estancias en centros de I+D+i públicos o privados

- 1 Burham Institute. Estados Unidos de América. 2007-2007. 3 meses. Invitado/a.
- 2 Centro del Cáncer de Salamanca. España. Salamanca. 01/03/2001-01/10/2002. 1 año - 6 meses. Contratado/a.