

Fecha del CVA	28/02/2019
---------------	------------

Parte A. DATOS PERSONALES

Nombre y Apellidos	Nino Spataro		
DNI/NIE/Pasaporte		Edad	
Núm. identificación del investigador	Researcher ID		
	Scopus Author ID		
	Código ORCID	0000-0002-2127-2238	

A.1. Situación profesional actual

Organismo	Corporació Sanitària Parc Taulí		
Dpto. / Centro	Genetica / Corporació Sanitària Parc Taulí		
Dirección			
Teléfono		Correo electrónico	
Categoría profesional	Tecnico Superior	Fecha inicio	2018
Espec. cód. UNESCO			
Palabras clave			

A.2. Formación académica (título, institución, fecha)

Licenciatura/Grado/Doctorado	Universidad	Año
Biomedicina	Universidad Pompeu Fabra	2016
Licenciado en Biología Opción Biología Celular y Molecular	Universidad de Roma Tor Vergata	2010

A.3. Indicadores generales de calidad de la producción científica

H index=3

Parte B. RESUMEN LIBRE DEL CURRÍCULUM

Mi experiencia científica abarca varios aspectos de la relación entre la variabilidad genética y las enfermedades humanas. En particular, durante mi doctorado me he focalizado en investigar el papel de las diferentes clases de variantes raras en una enfermedad compleja como la enfermedad de Parkinson. A tal propósito, se llevó a cabo un estudio de secuenciación masiva de un panel de genes relevantes para la enfermedad de interés y se analizó la contribución de las variantes raras a través de métodos estadísticos comúnmente llamados "collapsing methods". Además, haciendo uso de los datos de secuenciación fue posible predecir y luego validar las variantes en número de copia (CNVs). En general, este proyecto me ha permitido conseguir la experiencia necesaria para poner en prácticas los protocolos de análisis bioinformáticos necesarios para el descubrimiento y la evaluación de todas las clases de variantes humanas. Asimismo, los resultados generados me han permitido llevar a cabo varias colaboraciones y trabajar en un equipo multidisciplinario para estudiar y comprender los mecanismos moleculares que contribuyen al desarrollo de la enfermedad de Parkinson. Utilizando un planteamiento similar, he participado en otro proyecto que tenía como objetivo la evaluación del papel de las variantes raras en la Esclerosis Múltiple.

Parte C. MÉRITOS MÁS RELEVANTES (ordenados por tipología)

C.1. Publicaciones

- Artículo científico.** Dols-Icardo, Oriol; et al. (20/10). 2018. Analysis of known amyotrophic lateral sclerosis and frontotemporal dementia genes reveals a substantial genetic burden in patients manifesting both diseases not carrying the C9orf72 expansion mutation Journal of Neurology, Neurosurgery & Psychiatry. BMJ Publishing Group Ltd. 89-2, pp.162-168. ISSN 0022-3050.
- Artículo científico.** Malhotra, Sunny; et al. (18/13). 2018. NLRP3 polymorphisms and response to interferon-beta in multiple sclerosis patients Multiple Sclerosis Journal. 24-11, pp.1507-1510.

- 3 **Artículo científico.** Rodriguez, JA; et al. (6/4). 2017. Antagonistic pleiotropy and mutation accumulation influence human senescence and disease *Nature Ecology & Evolution*. Macmillan Publishers Limited. 1, pp.55.
- 4 **Artículo científico.** Spataro, N; et al. (4/1). 2017. Properties of human disease genes and the role of genes linked to Mendelian disorders in complex disease aetiology *Human Molecular Genetics*. Oxford University Press. 26-3, pp.489-500.
- 5 **Artículo científico.** Spataro, N; et al. (12/1). 2016. Detection of genomic rearrangements from targeted resequencing data in Parkinson's disease patients *Movement Disorders*. Wiley Online Library. 32-1, pp.165-169.
- 6 **Artículo científico.** Scherr, Anna-Lena; et al. (13/9). 2016. Signatures of Evolutionary Adaptation in Quantitative Trait Loci Influencing Trace Element Homeostasis in Liver *Molecular Biology and Evolution*. 33-3, pp.738-754. ISSN 0737-4038.
- 7 **Artículo científico.** Calafell, Francesc; et al. (12/1). 2014. Mendelian genes for Parkinson's disease contribute to the sporadic forms of the disease† *Human Molecular Genetics*. 24-7, pp.2023-2034. ISSN 0964-6906.

C.2. Proyectos

- 1 866, Grup de Recerca en Genètica de les Poblacions Humanes (Grup de Recerca Consolidat) AGENCIA DE GESTIO D'AJUTS UNIVERSITARIS I DE RECERCA. SGR. Jaume Bertranpetit. (INSTITUTO DE BIOLOGIA EVOLUTIVA). 2014-2016. Miembro de equipo.
- 2 SAF2011-29239, Variantes genéticas raras en la enfermedad de Parkinson: Aproximación evolutiva y resecuenciación de alto rendimiento Sudirección General de Evaluación y Fomento de la Investigación. SAF. Elena Bosch Fusté. (INSTITUTO DE BIOLOGIA EVOLUTIVA). 2012-2014. 108.900 €. Miembro de equipo.
- 3 1101, Grup de Recerca en Biologia Evolutiva (Grup de Recerca Consolidat) AGENCIA DE GESTIO D'AJUTS UNIVERSITARIS I DE RECERCA. SGR. Jaume Bertranpetit. (INSTITUTO DE BIOLOGIA EVOLUTIVA). 2009-2013. Miembro de equipo.

C.3. Contratos

C.4. Patentes