

Fecha del CVA	04/02/2022
---------------	------------

Parte A. DATOS PERSONALES

Nombre	Álvaro		
Apellidos	Chiner Oms		
Sexo	No Contesta	Fecha de Nacimiento	
DNI/NIE/Pasaporte			
URL Web			
Dirección Email			
Open Researcher and Contributor ID (ORCID)	0000-0002-0463-0101		

A.1. Situación profesional actual

Puesto	Investigador post-doctoral		
Fecha inicio	2020		
Organismo / Institución	Consejo Superior de Investigaciones Científicas		
Departamento / Centro	Unidad de genómica de la tuberculosis / Instituto de Biomedicina de Valencia		
País	España	Teléfono	(0034) 96 339 17 60
Palabras clave	Biología evolutiva; Bioinformática; Genómica; Microbiología		

A.2. Situación profesional anterior (incluye interrupciones en la carrera investigadora - indicar meses totales, según texto convocatoria-)

Periodo	Puesto / Institución / País
2019 - 2020	Investigador post-doctoral / Consejo Superior de Investigaciones Científicas
2014 - 2018	Investigador en formación / Universitat de València

Parte B. RESUMEN DEL CV

Parte C. LISTADO DE APORTACIONES MÁS RELEVANTES

C.1. Publicaciones más importantes en libros y revistas con “peer review” y conferencias

AC: Autor de correspondencia; (nº x / nº y): posición firma solicitante / total autores. Si aplica, indique el número de citas

- Artículo científico.** Mariana G. López; Álvaro Chiner-Oms; Darío García de Viedma; et al; Iñaki Comas. (1/271). 2021. The first wave of the COVID-19 epidemic in Spain was associated with early introductions and fast spread of a dominating genetic variant *Nature Genetics*. 53, pp.1405-1414. <https://doi.org/10.1038/s41588-021-00936-6>
- Artículo científico.** Álvaro Chiner-Oms; Michael Berney; Christine Boinett; et al; Iñaki Comas. (1/10). 2019. Genome-wide mutational biases fuel transcriptional diversity in the *Mycobacterium tuberculosis* complex *Nature Communications*. 10, pp.3994. <https://doi.org/10.1038/s41467-019-11948-6>
- Artículo científico.** Álvaro Chiner-Oms; Iñaki Comas. (1/2). 2019. Large genomics datasets shed light on the evolution of the *Mycobacterium tuberculosis* complex *Infection, Genetics and Evolution*. Elsevier. 72, pp.10-15. <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2019.02.028>
- Artículo científico.** Álvaro Chiner-Oms; Leonor Sánchez-Busó; Jukka Corander; Sebastien Gagneux; Simon R. Harris; Douglas Young; Fernando González-Candelas; Iñaki Comas. (1/8). 2019. Genomic determinants of speciation and spread of the *Mycobacterium tuberculosis* complex *Science Advances*. 5-6, pp.eaaw3307. <https://doi.org/10.1126/sciadv.aaw3307>
- Capítulo de libro.** Iñaki Comas; Álvaro Chiner-Oms. 2021. 2. Actuaciones sobre la enfermedad y la conexión con la clínica Una visión global de la pandemia COVID-19: qué sabemos y qué estamos investigando desde el CSIC. Editorial CSIC. pp.35-71. ISBN 978-84-00-10779-6.

- 6 **Artículo científico.** Alba Pérez-Cataluña; Álvaro Chiner-Oms; Enric Cuevas-Ferrando; et al; Gloria Sánchez. (2/11). 2021. Spatial and temporal analysis of SARS-CoV-2 diversity circulating in wastewater *Water Research*. 211, pp.118007. <https://doi.org/10.1016/j.watres.2021.118007>
- 7 **Artículo científico.** Paula Ruiz-Rodriguez; Clara Francés-Gómez; Álvaro Chiner-Oms; et al; Mireia Coscolla. (3/21). 2021. Evolutionary and phenotypic characterization of two spike mutations in European lineage 20E of SARS-CoV-2 *mBio*. 12-6, pp.e02315-21. <https://doi.org/10.1128/mBio.02315-21>
- 8 **Artículo científico.** Alfredo Castañeda-García; Isabel Martín-Bleuca; Esmeralda Cebrián-Sastre; Álvaro Chiner-Oms; Manoli Torres-Puente; Iñaki Comas; Jesus Blázquez. (4/7). 2020. Specificity and mutagenesis bias of the mycobacterial alternative mismatch repair analyzed by mutation accumulation studies.*Science Advances*. 6-7, pp.eaay4453. <https://doi.org/10.1126/sciadv.aay4453>
- 9 **Artículo científico.** Galo A Goig; Manuela Torres-Puente; Carla Mariner-Llicer; Luis M Villamayor; Álvaro Chiner-Oms; Ana Gil-Brusola; Rafa Borrás; Iñaki Comas. (5/8). 2019. Towards next-generation diagnostics for tuberculosis: identification of novel molecular targets by large-scale comparative genomics.*Bioinformatics*. 36-4, pp.985-989. <https://doi.org/10.1093/bioinformatics/btz729>
- 10 **Artículo científico.** Estefanía Abascal; Laura Pérez-Lago; Miguel Martínez-Lirola; et al; Álvaro Chiner-Oms; Darío García-de-Viedma. (4/12). 2019. Whole genome sequencing-based analysis of tuberculosis (TB) in migrants: rapid tools for cross-border surveillance and to distinguish between recent transmission in the host country and new importations *Eurosurveillance*. 24-4, pp.1800005. <https://doi.org/10.2807/1560-7917.ES.2019.24.4.1800005>

C.2. Congresos

- 1 Álvaro Chiner-Oms; Mariana Gabriela Lopez; Darío García de Viedma; Paula Ruiz-Rodriguez; Maria Alma Bracho; Irving Cancino-Muñoz; Giuseppe D'Auria; Griselda de Marco; Neris García-Gonzalez; Galo Adrian Goig; Inmaculada Gómez-Navarro; Santiago Jimenez-Serrano; Lluçia Martínez-Priego; Paula Ruiz-Hueso; Lidia Ruiz-Roldan; Manuela Torres-Puente; Mireia Coscolla; Fernando González-Candelas; Iñaki Comas; SeqCOVID-SPAIN consortium. The SeqCOVID-Spain consortium: unravelling the dynamics of the COVID-19 first epidemic wave in Spain.. *Applied Bioinformatics & Public Health Microbiology*. Wellcome Trust. 2021. Reino Unido. Participativo - Póster. Congreso.
- 2 Álvaro Chiner Oms; Fernando González-Candelas; Iñaki Comas. Evolutionary analysis of the Mycobacterium tuberculosis complex: genome-wide signals of positive selection.. VII Biennial Congress of the Spanish Society for Evolutionary Biology. Sociedad Española de Biología Evolutiva. 2020. España. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.
- 3 Álvaro Chiner Oms; Michael Berney; Christine Boinett; Fernando González Candelas; Douglas Young; Sebastien Gagneux; William R. Jacobs Jr.; Julian Parkhill; Teresa Cortes; Iñaki Comas Espadas. Genome-wide mutational biases fuel transcriptional diversity in the Mycobacterium tuberculosis complex. 40th Annual Congress of the European Society of Mycobacteriology. European Society of Mycobacteriology. 2019. España. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.
- 4 Álvaro Chiner Oms; Leonor Sánchez-Busó; Jukka Corander; Sebastien Gagneux; Simon Harris; Douglas Young; Fernando González-Candelas; Iñaki Comas. Genomic determinants of sympatric speciation of the Mycobacterium tuberculosis complex across evolutionary timescales. 14th International Conference on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases - XIV MEEGID. Elsevier. 2018. España. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.
- 5 Álvaro Chiner Oms; Leonor Sánchez Busó; Jukka Corander; Sebastien Gagneux; Fernando González Candelas; Simon Harris; Iñaki Comas Espadas. Extensive recombination followed by almost strict clonality in the emergence of the Mycobacterium tuberculosis complex.. 7th Congress of European Microbiologist. Federation of European Microbiological Societies (FEMS). 2017. España. Participativo - Póster. Congreso.

- 6 Álvaro Chiner Oms; Fernando Gonzalez Candelas; Iñaki Comas Espadas. Using computational systems biology approaches to understand the impact of Mycobacterium tuberculosis complex genomic diversity. MycoBCN – MycoNET Meeting. Universitat Autònoma de Barcelona. 2016. España. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.
- 7 Álvaro Chiner Oms; Fernando González Candelas; Iñaki Comas Espadas. Predicting the impact of global genomic variation of Mycobacterium tuberculosis in the bacterial regulatory network.. Tuberculosis 2016. European Molecular Biology Organization. 2016. Francia. Participativo - Póster. Congreso.
- 8 Álvaro Chiner Oms; Iñaki Comas Espadas; Fernando Gonzalez Candelas. The predictive power of systems biology; application to phoP regulation. MycoMAD-Meeting MycoClub 2015. Universidad Autónoma de Madrid. 2015. España. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.

C.3. Proyectos o líneas de investigación

- 1 **Proyecto**. TB-RECONNECT 101001038, Reconnecting transmission to global tuberculosis control by mapping pathogen transmission events to host infection status. European Research Council. Iñaki Comas Espadas. (Instituto de Biomedicina de Valencia). 01/06/2021-01/06/2026. 2.723.027 €. Miembro de equipo. Investigador post-doctoral
- 2 **Proyecto**. BFU2017-89594-R, Genómica y evolución de bacterias resistentes a antibióticos: de la epidemiología molecular a la filogenómica. Ministerio de Economía, Industria y Competitividad. Fernando González Candelas. (Universitat de València). 01/01/2018-31/12/2021. 193.600 €. Miembro de equipo. Investigador predoctoral
- 3 **Proyecto**. COV20/00140, Addressing unknowns of COVID-19 transmission and infection combining pathogen genomics and epidemiology to inform public health interventions. Instituto de Salud Carlos III. Iñaki Comas. (Instituto de Biomedicina de Valencia). 30/04/2020-30/04/2021. 1.750.000 €. Miembro de equipo. Coordinación y desarrollo de análisis bioinformáticos
- 4 **Proyecto**. CSIC-COV19-021, Addressing unknowns of COVID-19 transmission and infection combining pathogen genomics and epidemiology to inform public health interventions. Consejo Superior de Investigaciones Científicas. Iñaki Comas. (Instituto de Biomedicina de Valencia). 30/03/2020-31/03/2021. 747.000 €. Miembro de equipo. Coordinación y desarrollo de análisis bioinformáticos
- 5 **Proyecto**. TB-ACCELERATE 638553, Integrating genomics, epidemiology and evolution to accelerate tuberculosis eradication. European Research Council. Iñaki Comas Espadas. (Instituto de Biomedicina de Valencia). 2015-2020. 1.671.875 €. Miembro de equipo. Investigador post-doctoral desde 06/2019
- 6 **Proyecto**. BFU2014-58656-R, Evolución rápida de bacterias: procesos y oportunidades para el desarrollo de la epidemiología genómica. Ministerio de Economía y Competitividad. Fernando Gonzalez Candelas. (Universitat de València). 01/01/2015-31/12/2017. 190.000 €. Miembro de equipo. Investigador predoctoral
- 7 **Proyecto**. SAF2013-43521-R, Transforming next generation sequencing in a tool for epidemiology and diagnostics of tuberculosis: from bench to bedside. Ministerio de Economía y Competitividad. Iñaki Comas Espadas. (Instituto de Biomedicina de Valencia). 2014-2016. 193.000 €. Miembro de equipo. Investigador pre-doctoral